

CoReTracker report

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
CsakeA	CAA	False	False	39	0.094864	12	38	False	1	1	0.000
MingeA	CAA	False	False	44	0.035426	12	35	False	1	1	0.000
MmagnB	CAA	False	False	38	0.063639	11	29	False	1	1	0.000
CzempA	CAA	False	False	26	0.129056	7	19	False	1	1	0.000
CsalmA	CAA	False	False	40	-0.056050	11	30	False	1	1	0.000
MmagnA	CAA	False	False	39	0.051513	11	29	False	1	1	0.000
LstarA	CAA	False	False	33	-0.004859	8	23	False	1	1	0.000
MstarA	CAA	False	False	46	0.036560	12	35	False	1	1	0.000
MguilA	CAA	False	False	38	0.097688	12	37	False	1	1	0.000
ClusiA	CAA	False	False	41	0.034893	12	39	False	1	1	0.000
MtetrA	CAA	False	False	24	0.112474	9	18	False	1	1	0.000
SpombA	CAA	False	False	28	-0.142515	7	17	False	2	2	0.009
CglabA	CAA	False	False	28	0.132572	7	25	False	1	1	0.000
SoctoA	CAA	False	False	24	-0.269860	7	15	False	1	1	0.000
DhansA	CAA	False	False	39	0.094864	12	38	False	1	1	0.000
CalaiA	CAA	False	False	33	0.063253	10	31	False	1	1	0.000
NdelpA	CAA	False	False	28	0.132572	7	25	False	1	1	0.000
ScryoA	CAA	False	False	25	-0.260936	7	16	False	1	1	0.000