

CoReTracker report

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
AacerA	ATG	False	False	31	-0.837133	2	18	False	1	1	0.252
MmagnB	ATG	False	False	57	-0.865129	11	39	False	1	1	0.000
HuvarA	ATG	False	False	54	-0.791586	6	27	False	2	2	0.127
LstarA	ATG	False	False	63	-0.881692	9	40	False	1	1	0.000
MstarA	ATG	False	False	56	-0.838388	10	39	False	1	1	0.000
CsalmA	ATG	False	False	55	-0.914269	9	30	False	1	1	0.000
BcustA	ATG	False	False	62	-0.825535	11	43	False	1	1	0.000
CsantA	ATG	False	False	58	-0.895137	11	37	False	1	1	0.000
MmagnA	ATG	False	False	57	-0.865129	11	39	False	1	1	0.000
SjapoA	ATG	False	False	35	-0.887531	5	18	False	1	1	0.000
SpombA	ATG	False	False	40	-0.871205	6	23	False	1	1	0.000
CzempA	ATG	False	False	37	-0.817409	7	19	False	1	1	0.000
SoctoA	ATG	False	False	38	-0.910180	6	24	False	1	1	0.000
MtetrA	ATG	False	False	58	-0.867099	10	38	False	1	1	0.000
MingeA	ATG	False	False	55	-0.864782	10	39	False	1	1	0.000
ScryoA	ATG	False	False	40	-0.864230	6	24	False	1	1	0.000