

CoReTracker report

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
CnorvA	TTA	False	False	345	1.816337	13	319	False	1	1	0.005
LmeyeA	TTA	False	False	194	1.885429	7	185	False	3	3	0.000
CgallA	TTA	False	False	312	1.743222	13	263	False	2	3	0.000
	TTG	False	False	10	2.229167	3	9	False	1	1	0.000
CdefoA	TTA	False	False	318	1.751757	13	268	False	3	4	0.000
PpastA	TTA	False	False	339	1.827091	13	303	False	4	6	0.000
MstarA	TTA	False	False	333	1.799445	13	285	False	3	7	0.000
ScastA	TTA	False	False	193	1.763289	7	169	False	2	2	0.000
AgossaA	TTA	False	False	190	1.839028	7	171	False	2	4	0.000
LkluyF	TTA	False	False	200	1.853301	7	189	False	2	2	0.000
	CTA	False	False	15	1.882500	5	11	False	1	1	0.000
SjapoA	CTT	False	False	40	1.620110	5	26	False	2	2	0.000
	TTA	False	False	153	1.508600	7	99	False	4	7	0.000
CchauA	CTT	False	False	37	1.855397	10	34	False	1	1	0.000
SpombA	CTA	False	False	21	1.858495	5	16	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	157	1.495616	7	108	False	3	4	0.000
CvartA	TTA	False	False	307	1.838733	13	285	False	2	2	0.000
LkluyA	TTA	False	False	200	1.853301	7	189	False	2	2	0.000
NbaciA	TTA	False	False	186	1.807166	7	173	False	2	2	0.000
AacerA	TTA	False	False	68	1.932597	2	64	False	1	2	0.070
	CTA	False	False	115	1.826543	13	103	False	1	1	0.000
	CTC	False	False	15	2.044749	6	13	False	1	1	0.000
MmagnB	CTG	False	False	62	1.919977	12	52	False	2	3	0.000
	CTT	False	False	113	1.717429	13	97	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	28	1.652584	7	21	False	1	1	0.000
ScereC	TTA	False	False	194	1.803492	7	176	False	2	2	0.000
	CTA	False	False	115	1.850880	13	102	False	2	2	0.000
MmagnA	CTC	False	False	14	2.052683	5	12	False	1	1	0.000
	CTG	False	False	63	1.918008	13	53	False	2	3	0.000
	CTT	False	False	115	1.718373	13	99	False	1	1	0.000
CbohiA	TTA	False	False	341	1.808565	13	324	False	1	1	0.000
LstarA	TTA	False	False	229	1.691176	10	194	False	2	2	0.000
MguilA	TTA	False	False	307	1.818364	13	292	False	1	1	0.000
WmucoA	TTA	False	False	307	1.806846	13	280	False	1	1	0.000
CalimA	TTA	False	False	324	1.758589	13	275	False	3	4	0.000
	CTA	False	False	191	1.700796	13	152	False	2	6	0.000
CsantA	CTT	False	False	60	1.712459	11	50	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	65	1.773256	12	51	False	1	1	0.000

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
Mtetra	CTC	False	False	56	1.747502	13	50	False	1	1	0.000
	CTG	False	False	124	1.897419	12	104	False	3	5	0.000
	CTT	False	False	75	1.695023	13	61	False	1	1	0.000
ScereA	TTA	False	False	193	1.811733	7	176	False	2	2	0.000
CsuavA	CTA	False	False	12	2.119416	6	11	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	305	1.831095	13	283	False	1	1	0.000
ScereD	TTA	False	False	194	1.803492	7	176	False	2	2	0.000
ScereE	TTA	False	False	195	1.804321	7	177	False	2	2	0.000
MfariA	TTA	False	False	312	1.792620	13	293	False	1	1	0.000
PkluyA	TTA	False	False	324	1.762344	13	282	False	4	5	0.000
MfariB	TTA	False	False	354	1.851049	13	334	False	3	3	0.055
CalaiA	TTA	False	False	304	1.873064	11	286	False	2	4	0.000
PcanaA	TTA	False	False	322	1.833080	13	300	False	1	1	0.000
WpijpA	TTA	False	False	168	1.838482	7	157	False	1	1	0.000
BcaliA	TTA	False	False	346	1.815175	13	319	False	1	1	0.000
BarxA	TTA	False	False	54	1.902796	1	42	False	1	5	0.045
LanspB	TTA	False	False	193	1.885946	7	184	False	3	3	0.000
CphanA	TTA	False	False	333	1.751896	13	281	False	3	4	0.000
LanspA	TTA	False	False	202	1.861698	7	188	False	4	4	0.000
LdasiA	TTA	False	False	197	1.887376	7	188	False	3	3	0.000
YlipoB	TTA	False	False	317	1.752162	13	266	False	3	4	0.000
YlipoA	TTA	False	False	317	1.752162	13	266	False	3	4	0.000
CsalmA	TTA	False	False	294	1.598528	12	228	False	2	6	0.000
CjadiA	TTA	False	False	322	1.839188	13	300	False	1	1	0.000
AgossB	TTA	False	False	190	1.839028	7	171	False	2	4	0.000
CsubhA	CTA	False	False	128	1.803981	12	118	False	1	1	0.000
	CTC	False	False	104	1.829799	13	94	False	1	1	0.000
BcustA	TTA	False	False	318	1.753096	13	274	False	4	7	0.000
CglabA	TTA	False	False	192	1.816990	7	178	False	2	2	0.000
CsubhB	CTA	False	False	128	1.803981	12	118	False	1	1	0.000
	CTC	False	False	104	1.829799	13	94	False	1	1	0.000
LkluyC	TTA	False	False	200	1.853301	7	189	False	2	2	0.000
OanguA	TTA	False	False	306	1.755478	13	264	False	3	6	0.000
NdelpA	TTA	False	False	187	1.813822	7	171	False	2	2	0.000
ScryoA	CTA	False	False	36	1.661854	6	24	False	2	2	0.000
	CTT	False	False	22	1.623094	6	16	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	136	1.541389	7	97	False	2	2	0.000
LnothA	TTA	False	False	195	1.890488	7	186	False	3	3	0.000
CsakeA	TTA	False	False	337	1.829532	12	320	False	2	2	0.055
SarboA	TTA	False	False	192	1.802829	7	174	False	2	2	0.000
HuvarA	TTA	False	False	166	1.608922	6	122	False	3	4	0.000

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
LkluyE	TTA	False	False	199	1.852860	7	188	False	2	2	0.000
CcastA	TTA	False	False	187	1.802700	7	170	False	2	2	0.000
KtherA	TTA	False	False	198	1.882307	7	189	False	3	3	0.000
KlactA	TTA	False	False	193	1.841854	7	178	False	2	3	0.000
LkluyD	TTA	False	False	197	1.851641	7	186	False	2	2	0.000
CblacA	TTA	False	False	56	1.848677	1	52	False	1	1	0.093
CzempA	TTA	False	False	193	1.778646	7	141	False	4	12	0.000
CmaltA	CTA	False	False	87	1.809639	13	80	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	223	1.888438	13	212	False	2	2	0.000
SoctoA	CTT	False	False	27	1.648273	6	19	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	159	1.573064	7	112	False	3	4	0.000
SpastA	TTA	False	False	195	1.789349	7	175	False	2	2	0.000
DhansA	TTA	False	False	343	1.826793	13	326	False	2	2	0.000
KmarxA	TTA	False	False	55	1.892674	1	52	False	1	1	0.094
MingeA	TTA	False	False	335	1.782584	13	283	False	4	8	0.000
LkluyB	TTA	False	False	56	1.893455	1	53	False	1	1	0.094