

CoReTracker report

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
LmeyeA	GCA	False	False	37	0.161108	6	30	False	1	2	0.000
	GCA	False	False	22	-0.090320	6	10	False	2	3	0.000
SpombA	GCG	False	False	4	0.028916	4	0	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	68	-0.065849	6	40	False	3	6	0.000
SpastA	GCA	False	False	45	0.275090	5	36	False	3	3	0.000
	GCT	False	False	47	0.084929	6	35	False	2	2	0.000
CmetaD	GCA	False	False	24	0.370435	7	21	False	2	2	0.000
	GCT	False	False	105	0.118667	13	101	False	2	2	0.000
CgigaA	GCA	False	False	12	0.398216	6	9	False	1	1	0.000
	GCG	False	False	11	0.538149	7	9	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	64	0.006726	10	54	False	3	3	0.000
CsantA	GCA	False	False	37	-0.089039	9	25	False	2	2	0.000
	GCT	False	False	52	0.367096	10	35	False	4	6	0.000
CtropB	GCC	False	False	24	0.237387	9	23	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	74	0.053427	12	69	False	1	1	0.000
CtropA	GCC	False	False	23	0.263208	9	22	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	75	0.054312	12	70	False	1	1	0.000
WpijpA	GCA	False	False	36	0.081660	7	32	False	1	1	0.000
	GCC	False	False	7	0.785519	5	5	False	1	1	0.000
CsubhA	GCC	False	False	80	0.052456	12	70	False	2	3	0.000
	GCG	False	False	14	0.062361	8	11	False	1	1	0.000
CsubhB	GCC	False	False	80	0.052456	12	70	False	2	3	0.000
	GCG	False	False	14	0.062361	8	11	False	1	1	0.000
OanguA	GCA	False	False	49	-0.060266	9	41	False	2	2	0.000
	GCC	False	False	5	0.959016	5	4	False	1	1	0.001
	GCG	False	False	2	1.572770	2	1	False	1	1	0.038
	GCT	False	False	82	0.124984	12	70	False	4	5	0.000
SarboA	GCA	False	False	38	0.201491	6	31	False	2	2	0.000
	GCC	False	False	1	3.411765	1	0	False	1	1	0.088
	GCT	False	False	50	0.050345	6	40	False	1	1	0.000
CcastA	GCA	False	False	35	0.046531	7	27	False	1	1	0.000
KtherA	GCA	False	False	39	0.092353	6	28	False	2	3	0.000
CblacA	GCA	False	False	5	1.321818	1	4	False	1	1	0.123
	GCT	False	False	26	0.156403	1	22	False	1	1	0.096
CnorvA	GCA	False	False	54	0.140588	11	47	False	1	1	0.000
	GCC	False	False	4	1.663573	2	3	False	1	1	0.002
	GCT	False	False	75	-0.066723	12	61	False	3	3	0.000
CviswA	GCA	False	False	44	-0.122425	9	39	False	1	1	0.000

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
MstarA	GCC	False	False	4	0.957393	2	3	False	1	1	0.001
	GCT	False	False	84	0.055978	12	62	False	2	5	0.000
NbaciA	GCA	False	False	18	0.388977	5	13	False	1	2	0.000
	GCT	False	False	70	0.100450	6	56	False	3	4	0.000
CalbiD	GCT	False	False	76	0.111668	10	72	False	2	2	0.000
CbohiA	GCA	False	False	36	0.193511	8	33	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	108	-0.014456	13	93	False	3	4	0.000
LstarA	GCA	False	False	37	0.033734	7	25	False	2	4	0.000
	GCT	False	False	71	-0.046965	10	46	False	4	4	0.000
MfariA	GCT	False	False	68	0.107624	12	64	False	2	2	0.000
MfariB	GCA	False	False	49	-0.073580	10	40	False	2	2	0.001
	GCG	False	False	1	3.294118	1	0	False	1	1	0.219
CalaiA	GCT	False	False	83	0.106889	12	78	False	1	1	0.001
	GCA	False	False	26	0.468544	8	23	False	2	3	0.000
	GCT	False	False	100	0.090226	10	88	False	2	2	0.000
LanspB	GCA	False	False	36	0.080159	5	28	False	1	2	0.000
CphanaA	GCA	False	False	49	-0.059043	12	32	False	4	4	0.000
	GCT	False	False	108	-0.217704	12	71	False	4	5	0.000
LanspA	GCA	False	False	35	-0.095831	5	27	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	58	0.213733	6	51	False	3	3	0.000
CsojaA	GCA	False	False	28	0.141062	6	25	False	1	1	0.000
CglabA	GCA	False	False	37	0.261649	6	30	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	50	0.118898	6	41	False	2	3	0.000
ScryoA	GCA	False	False	32	-0.396816	6	20	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	54	0.223427	6	27	False	3	8	0.000
CneerA	GCA	False	False	20	0.245130	6	18	False	1	1	0.000
	GCC	False	False	13	0.325203	5	12	False	1	1	0.000
CsakeA	GCA	False	False	49	-0.038911	9	45	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	73	0.131143	11	68	False	2	2	0.000
	GCA	False	False	26	-0.377786	5	18	False	1	1	0.000
HuvarA	GCC	False	False	2	1.370892	2	0	False	1	1	0.023
	GCT	False	False	59	0.304004	6	39	False	5	7	0.000
CjiufA	GCA	False	False	28	0.321650	8	26	False	2	2	0.000
	GCT	False	False	98	0.048263	13	92	False	1	1	0.000
KlactA	GCT	False	False	54	-0.114928	6	42	False	1	1	0.000
CzempA	GCT	False	False	45	0.597796	6	26	False	2	7	0.000
CmetaB	GCA	False	False	24	0.370435	7	21	False	2	2	0.000
	GCT	False	False	105	0.118667	13	101	False	2	2	0.000
CmetaC	GCA	False	False	24	0.370435	7	21	False	2	2	0.000
	GCT	False	False	105	0.118667	13	101	False	2	2	0.000
CmetaA	GCA	False	False	24	0.370435	7	21	False	2	2	0.000

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
CmetaF	GCT	False	False	105	0.118667	13	101	False	2	2	0.000
	GCA	False	False	24	0.370435	7	21	False	2	2	0.000
	GCT	False	False	105	0.118667	13	101	False	2	2	0.000
CfrijA	GCT	False	False	95	0.041441	13	89	False	2	2	0.000
	GCA	False	False	58	-0.024426	13	38	False	2	4	0.000
CgallA	GCC	False	False	12	0.288812	6	8	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	86	-0.304740	11	56	False	3	4	0.000
CmetaE	GCA	False	False	24	0.370435	7	21	False	2	2	0.000
	GCT	False	False	105	0.118667	13	101	False	2	2	0.000
PpastA	GCA	False	False	78	-0.005629	10	64	False	2	3	0.000
	GCA	False	False	12	0.564043	3	7	False	1	2	0.000
SjapoA	GCC	False	False	4	0.508235	3	2	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	61	-0.053422	6	37	False	2	4	0.000
CalbiE	GCT	False	False	44	0.241349	7	41	False	2	2	0.000
	GCA	False	False	22	0.170597	8	20	False	1	1	0.000
CtetrA	GCT	False	False	87	0.101114	13	82	False	2	2	0.000
	GCT	False	False	78	0.109665	11	74	False	2	2	0.000
CalbiC	GCT	False	False	78	0.109665	11	74	False	2	2	0.000
CalbiB	GCT	False	False	78	0.109665	11	74	False	2	2	0.000
CalbiA	GCT	False	False	75	0.123953	10	71	False	2	2	0.000
MmagnB	GCA	False	False	53	-0.249319	9	35	False	2	3	0.000
	GCC	False	False	31	-0.128464	9	25	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	33	0.265653	8	26	False	2	2	0.000
MmagnA	GCA	False	False	51	-0.310646	9	33	False	2	3	0.000
	GCC	False	False	31	-0.128464	9	25	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	34	0.330882	8	27	False	2	2	0.000
CparaA	GCA	False	False	20	0.059130	5	19	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	84	0.071793	11	81	False	1	1	0.000
CcoryA	GCA	False	False	42	0.073679	10	35	False	2	2	0.000
	GCT	False	False	95	0.009811	13	83	False	4	4	0.000
CparaC	GCA	False	False	30	0.000354	6	28	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	105	0.156577	12	100	False	2	3	0.000
CparaB	GCA	False	False	30	0.000354	6	28	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	105	0.156577	12	100	False	2	3	0.000
CparaE	GCA	False	False	30	0.000354	6	28	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	105	0.156577	12	100	False	2	3	0.000
CparaD	GCA	False	False	30	0.000354	6	28	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	105	0.156577	12	100	False	2	3	0.000
CparaF	GCA	False	False	30	0.000354	6	28	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	105	0.156577	12	100	False	2	3	0.000
MtetrA	GCA	False	False	32	0.212131	8	26	False	1	3	0.000
	GCC	False	False	60	-0.386758	10	43	False	1	1	0.000

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
CsaraA	GCT	False	False	15	0.151674	6	9	False	1	2	0.000
	GCC	False	False	9	0.308168	6	8	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	75	0.021730	11	72	False	1	1	0.000
CsuavA	GCA	False	False	57	0.125115	11	52	False	2	2	0.000
	GCT	False	False	71	0.251855	11	53	False	4	5	0.000
PkluyA	GCA	False	False	76	0.002493	9	58	False	3	3	0.000
	GCG	False	False	5	1.225641	3	3	False	1	1	0.001
PcanaA	GCA	False	False	46	-0.172326	10	39	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	89	0.218709	11	71	False	4	5	0.000
YlipoB	GCA	False	False	54	-0.002607	11	37	False	2	4	0.000
	GCC	False	False	5	0.830357	4	3	False	1	1	0.001
	GCT	False	False	98	-0.311089	12	63	False	3	4	0.000
YlipoA	GCA	False	False	54	-0.002607	11	37	False	2	4	0.000
	GCC	False	False	5	0.830357	4	3	False	1	1	0.001
	GCT	False	False	98	-0.311089	12	63	False	3	4	0.000
CjadiA	GCA	False	False	56	0.322311	9	49	False	3	4	0.000
	GCT	False	False	82	0.066129	12	62	False	4	4	0.000
NdelpA	GCA	False	False	35	0.337238	6	30	False	3	3	0.000
	GCT	False	False	47	-0.004426	6	38	False	1	1	0.000
LelonA	GCA	False	False	40	0.078355	10	36	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	93	0.116845	13	88	False	3	3	0.000
LkluyF	GCA	False	False	51	0.027918	5	42	False	1	2	0.000
	GCT	False	False	47	0.049777	7	38	False	1	1	0.000
CalimA	GCA	False	False	42	-0.065444	9	27	False	2	2	0.000
	GCT	False	False	109	-0.191243	12	69	False	5	7	0.000
CchauA	GCA	False	False	27	-0.039047	10	24	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	98	0.067270	13	83	False	5	5	0.000
BcaliA	GCA	False	False	55	0.226679	10	51	False	2	2	0.000
	GCT	False	False	77	-0.110680	12	59	False	2	2	0.000
SoctoA	GCA	False	False	23	-0.156432	5	12	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	68	-0.071965	6	37	False	2	7	0.000
LkluyB	GCT	False	False	17	0.168984	1	12	False	1	1	0.061
CbuenA	GCC	False	False	4	1.787798	3	2	False	2	2	0.058
	GCT	False	False	104	0.121244	13	94	False	3	4	0.000
CdefoA	GCA	False	False	61	-0.137057	13	38	False	3	4	0.000
	GCG	False	False	4	1.507772	3	3	False	1	1	0.001
	GCT	False	False	88	-0.264383	11	58	False	3	4	0.000
LdasiA	GCA	False	False	38	0.225275	6	30	False	1	2	0.000
	GCT	False	False	57	-0.102440	6	47	False	1	1	0.000
CpseuA	GCA	False	False	10	0.623294	1	9	False	1	1	0.046
LkluyE	GCA	False	False	51	-0.033870	5	43	False	1	1	0.000

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
LkluyD	GCT	False	False	48	0.113578	7	37	False	2	2	0.000
	GCA	False	False	50	-0.025577	5	42	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	48	0.055302	7	38	False	1	1	0.000
LkluyC	GCA	False	False	51	0.027918	5	42	False	1	2	0.000
	GCT	False	False	47	0.049777	7	38	False	1	1	0.000
CvartA	GCA	False	False	51	-0.065464	10	46	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	80	0.389399	11	64	False	5	6	0.000
LkluyA	GCA	False	False	51	0.027918	5	42	False	1	2	0.000
	GCT	False	False	47	0.049777	7	38	False	1	1	0.000
CdublA	GCA	False	False	22	0.212163	6	21	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	88	0.049007	12	83	False	1	1	0.000
CorthB	GCA	False	False	18	0.224558	6	17	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	115	0.106730	13	109	False	2	3	0.000
CorthC	GCA	False	False	18	0.224558	6	17	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	116	0.105066	13	110	False	2	3	0.000
CorthA	GCA	False	False	18	0.224558	6	17	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	116	0.107156	13	110	False	2	3	0.000
ClusiA	GCA	False	False	46	0.033442	11	43	False	1	1	0.000
	GCG	False	False	3	1.200000	3	1	False	1	1	0.024
	GCT	False	False	83	0.003003	11	78	False	1	1	0.000
MguilA	GCC	False	False	5	1.556485	5	3	False	2	2	0.030
	GCA	False	False	47	0.074487	11	40	False	1	1	0.000
WmucoA	GCT	False	False	85	0.076787	12	69	False	4	4	0.000
	GCA	False	False	38	0.194646	6	28	False	3	3	0.000
ScereC	GCT	False	False	53	0.135101	6	41	False	2	2	0.000
	GCA	False	False	39	0.200633	6	29	False	3	3	0.000
ScereA	GCT	False	False	52	0.046499	6	41	False	1	1	0.000
	GCA	False	False	38	0.146360	6	30	False	2	2	0.000
ScereD	GCT	False	False	51	0.175919	6	40	False	2	2	0.000
	GCA	False	False	39	0.249270	6	30	False	3	3	0.000
ScereE	GCT	False	False	51	0.170700	6	40	False	2	2	0.000
	GCA	False	False	41	-0.061210	9	37	False	1	1	0.000
DhansA	GCT	False	False	90	0.252530	12	80	False	4	5	0.000
	GCA	False	False	25	0.362018	8	18	False	1	2	0.000
CsalmaA	GCT	False	False	86	-0.026044	11	63	False	4	5	0.000
	GCA	False	False	36	0.169711	6	29	False	1	2	0.000
LnothA	GCT	False	False	62	-0.063316	6	50	False	1	1	0.000
	GCA	False	False	51	0.039992	10	39	False	3	3	0.000
BcustA	GCT	False	False	66	0.062634	11	51	False	2	2	0.000
	GCA	False	False	33	-0.052256	9	31	False	1	1	0.000
CtheaA	GCT	False	False	100	0.214764	13	96	False	2	3	0.000

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
MingeA	GCA	False	False	37	0.204610	9	29	False	3	3	0.000
	GCT	False	False	88	-0.170656	12	63	False	2	3	0.000
ScastA	GCC	False	False	6	0.318328	4	3	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	53	0.163539	6	46	False	2	2	0.000
CmaltA	GCT	False	False	99	0.167820	13	92	False	3	3	0.000
KmarxA	GCC	False	False	4	0.742597	1	2	False	1	1	0.307