

CoReTracker report

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
CviswA	ATG	False	False	65	0.085645	10	55	False	1	1	0.000
MstarA	ATG	False	False	56	0.074214	10	39	False	1	1	0.000
SjapoA	ATG	False	False	35	0.028525	5	18	False	1	2	0.000
NbaciA	ATG	False	False	53	0.189699	6	34	False	3	3	0.143
CtetrA	ATG	False	False	63	0.086884	10	57	False	1	1	0.000
AacerA	ATG	False	False	31	0.095681	2	18	False	1	1	0.252
MmagnB	ATG	False	False	57	0.073432	11	39	False	1	1	0.000
CgigaA	ATG	False	False	55	0.053180	9	48	False	1	1	0.000
MmagnA	ATG	False	False	57	0.073432	11	39	False	1	1	0.000
LstarA	ATG	False	False	63	-0.012227	9	40	False	2	2	0.000
CsantA	ATG	False	False	58	-0.018237	11	37	False	1	1	0.000
MtetrA	ATG	False	False	58	0.079417	10	38	False	1	1	0.000
CsaraA	ATG	False	False	63	0.074124	10	55	False	1	1	0.000
CalaiA	ATG	False	False	59	0.070824	9	50	False	1	1	0.000
CsalmA	ATG	False	False	55	0.137690	9	30	False	1	2	0.000
SoctoA	ATG	False	False	38	0.132485	6	24	False	2	2	0.000
CsubhA	ATG	False	False	68	0.085354	11	53	False	1	1	0.000
CglabA	ATG	False	False	50	0.192028	6	37	False	1	1	0.000
CsubhB	ATG	False	False	68	0.085354	11	53	False	1	1	0.000
OanguA	ATG	False	False	54	0.127290	11	45	False	1	2	0.000
NdelpA	ATG	False	False	50	0.178736	6	37	False	1	1	0.000
ScryoA	ATG	False	False	40	0.108711	6	24	False	2	2	0.000
MingeA	ATG	False	False	55	0.105213	10	39	False	1	1	0.000
ScastA	ATG	False	False	37	0.224389	6	28	False	1	1	0.000
CcastA	ATG	False	False	41	0.285278	6	30	False	3	3	0.124
CblacA	ATG	False	False	18	0.317492	1	15	False	1	1	0.252
SpombA	ATG	False	False	40	0.075901	6	23	False	2	2	0.000