

# CoReTracker report

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
MingeA	AAA	False	False	40	0.091647	11	36	False	1	1	0.116
MmagnB	AAA	False	False	30	0.086940	11	27	False	1	1	0.116
CphanA	AAA	False	False	40	0.048752	11	34	False	1	1	0.116
CgallA	AAA	False	False	39	0.050553	11	33	False	1	1	0.116
MmagnA	AAA	False	False	30	0.086940	11	27	False	1	1	0.116
CdefoA	AAA	False	False	39	0.050553	11	33	False	1	1	0.116
LstarA	AAA	False	False	28	0.165979	8	25	False	1	1	0.116
MstarA	AAA	False	False	42	0.086849	11	38	False	1	1	0.208
YlipoB	AAA	False	False	40	0.062207	11	32	False	1	1	0.116
YlipoA	AAA	False	False	40	0.062207	11	32	False	1	1	0.116
Csalma	AAA	False	False	39	0.025791	11	33	False	1	1	0.208
AgossA	AAA	False	False	21	0.106207	6	19	False	1	1	0.208
CalimA	AAA	False	False	41	0.047484	11	35	False	1	1	0.208
SjapoA	AAA	False	False	20	-0.219405	6	9	False	1	1	0.267
AgossB	AAA	False	False	21	0.106207	6	19	False	1	1	0.208
CzempA	AAA	False	False	19	0.123907	7	14	False	1	1	0.208