

CoReTracker report

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
SpombA	GGA	False	False	31	0.276106	6	26	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	87	0.292704	7	67	False	4	6	0.000
CmetaD	GGA	False	False	52	0.088807	9	49	False	1	2	0.000
CgigaA	GGC	False	False	9	0.506397	4	7	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	70	0.157141	12	65	False	2	2	0.000
CsantA	GGA	False	False	35	0.183277	11	32	False	1	1	0.000
	GGC	False	False	14	0.472036	7	10	False	1	1	0.000
CtropB	GGT	False	False	107	0.162187	13	93	False	3	3	0.000
	GGG	False	False	18	0.106691	8	15	False	1	1	0.000
CtropA	GGT	False	False	118	0.144301	12	112	False	1	1	0.000
	GGG	False	False	19	0.115885	8	16	False	1	1	0.000
CtropA	GGT	False	False	117	0.144481	12	111	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	32	0.221370	6	29	False	1	1	0.000
WpijpA	GGT	False	False	32	0.221370	6	29	False	1	1	0.000
BarxA	GGG	False	False	1	3.027273	1	0	False	1	1	0.500
CoxycA	GGT	False	False	31	0.131749	1	28	False	1	1	0.091
CsubhA	GGC	False	False	22	0.289116	8	18	False	2	2	0.001
CsubhB	GGC	False	False	22	0.289116	8	18	False	2	2	0.001
OanguA	GGA	False	False	67	0.111303	13	63	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	94	0.198607	12	86	False	3	3	0.000
CcastA	GGA	False	False	42	0.151357	6	41	False	1	1	0.000
CblacA	GGG	False	False	1	2.218182	1	0	False	1	1	0.469
	GGT	False	False	37	0.156834	1	33	False	1	1	0.245
CnorvA	GGT	False	False	119	0.234481	12	107	False	4	5	0.000
CviswA	GGA	False	False	69	0.073015	12	66	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	113	0.144473	12	106	False	1	1	0.000
MstarA	GGT	False	False	124	0.228359	13	115	False	3	3	0.000
NbaciA	GGT	False	False	78	0.185176	6	73	False	2	2	0.000
CalbiD	GGA	False	False	36	0.113863	10	34	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	132	0.120790	11	127	False	1	1	0.000
CbohiA	GGA	False	False	41	0.090271	9	37	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	142	0.179632	12	136	False	3	4	0.000
LstarA	GGA	False	False	60	0.299946	8	52	False	5	6	0.000
	GGT	False	False	96	0.193443	8	81	False	3	4	0.000
MfariA	GGT	False	False	103	0.104934	13	98	False	1	2	0.000
MfariB	GGT	False	False	99	0.131044	11	93	False	1	2	0.000
CalaiA	GGT	False	False	130	0.118601	11	124	False	2	2	0.000
CphanaA	GGA	False	False	69	0.130428	13	66	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	114	0.189229	12	102	False	5	5	0.000

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
CsojaA	GGA	False	False	35	0.189434	7	33	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	97	0.127396	8	92	False	1	1	0.000
CglabA	GGT	False	False	69	0.138083	7	64	False	1	1	0.000
ScryoA	GGA	False	False	40	0.336671	7	29	False	2	2	0.000
	GGT	False	False	72	0.298755	6	61	False	4	5	0.000
CneerA	GGT	False	False	143	0.157792	13	133	False	1	2	0.000
CsakeA	GGT	False	False	122	0.137060	12	115	False	1	2	0.000
HuvarA	GGA	False	False	32	0.353911	6	25	False	2	3	0.000
	GGT	False	False	75	0.229560	6	64	False	2	3	0.000
CjiufA	GGA	False	False	62	0.109852	12	60	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	120	0.108966	13	116	False	1	1	0.000
CzempA	GGA	False	False	34	0.184439	6	31	False	2	2	0.000
	GGT	False	False	77	0.330555	7	64	False	3	4	0.000
CmetaB	GGA	False	False	52	0.088807	9	49	False	1	2	0.000
CmetaC	GGA	False	False	52	0.088807	9	49	False	1	2	0.000
CmetaA	GGA	False	False	52	0.088807	9	49	False	1	2	0.000
CmetaF	GGA	False	False	52	0.088807	9	49	False	1	2	0.000
CfrijA	GGA	False	False	41	0.122428	11	38	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	149	0.143256	13	141	False	1	1	0.000
CgallA	GGA	False	False	68	0.179829	13	61	False	2	3	0.000
	GGT	False	False	112	0.143032	12	104	False	3	3	0.000
CmetaE	GGA	False	False	52	0.088807	9	49	False	1	2	0.000
PpastA	GGA	False	False	91	0.157075	11	86	False	2	2	0.000
	GGT	False	False	84	0.169859	13	78	False	2	2	0.000
SjapoA	GGA	False	False	16	0.390588	5	13	False	2	2	0.000
	GGT	False	False	82	0.221097	7	70	False	3	4	0.000
CalbiE	GGA	False	False	28	0.144157	6	26	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	75	0.159360	6	70	False	1	1	0.000
CtetraA	GGA	False	False	30	0.107239	8	27	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	147	0.144958	12	137	False	2	2	0.000
CalbiC	GGA	False	False	47	0.111313	11	45	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	137	0.106347	12	132	False	1	1	0.000
CalbiB	GGA	False	False	47	0.111313	11	45	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	137	0.106347	12	132	False	1	1	0.000
CalbiA	GGA	False	False	40	0.116932	10	38	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	129	0.118926	11	124	False	1	1	0.000
MmagnB	GGA	False	False	109	0.134383	13	101	False	2	2	0.000
	GGT	False	False	33	0.365010	11	29	False	2	2	0.000
MmagnA	GGA	False	False	110	0.131906	13	103	False	2	2	0.000
	GGT	False	False	35	0.357618	11	31	False	2	2	0.000
CcoryA	GGA	False	False	44	0.272505	11	40	False	2	3	0.000

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
CparaC	GGT	False	False	138	0.128848	12	131	False	1	1	0.000
	GGA	False	False	43	0.109495	9	42	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	143	0.109062	12	138	False	1	1	0.000
CparaB	GGA	False	False	42	0.107096	9	41	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	143	0.107679	12	138	False	1	1	0.000
CparaE	GGA	False	False	43	0.109495	9	42	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	143	0.109062	12	138	False	1	1	0.000
CparaD	GGA	False	False	42	0.107096	9	41	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	143	0.107679	12	138	False	1	1	0.000
CparaF	GGA	False	False	43	0.109495	9	42	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	143	0.109062	12	138	False	1	1	0.000
MtetrA	GGA	False	False	93	0.132323	13	83	False	2	2	0.000
	GGG	False	False	63	0.165962	12	59	False	1	1	0.000
CsaraA	GGA	False	False	80	0.143427	13	77	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	99	0.165746	11	92	False	1	2	0.000
CsuavA	GGA	False	False	96	0.153417	12	89	False	2	3	0.000
	GGT	False	False	75	0.108148	11	71	False	1	1	0.000
PkluyA	GGA	False	False	143	0.135601	13	125	False	4	4	0.000
	GGT	False	False	39	0.165147	10	37	False	1	1	0.000
PcanaA	GGA	False	False	70	0.141933	11	66	False	2	2	0.000
	GGT	False	False	102	0.175244	13	94	False	3	3	0.000
YlipoB	GGA	False	False	63	0.169189	12	57	False	2	2	0.000
	GGT	False	False	119	0.164730	13	110	False	4	4	0.000
YlipoA	GGA	False	False	62	0.163451	12	57	False	2	2	0.000
	GGT	False	False	119	0.164730	13	110	False	4	4	0.000
CjadiA	GGA	False	False	106	0.193303	13	99	False	3	4	0.000
NdelpA	GGT	False	False	81	0.169469	6	75	False	2	2	0.000
LelonA	GGT	False	False	130	0.111224	13	128	False	1	1	0.000
CalimA	GGA	False	False	69	0.161928	12	61	False	2	2	0.000
	GGT	False	False	113	0.164385	12	106	False	4	4	0.000
BcaliA	GGA	False	False	95	0.173048	13	88	False	2	2	0.000
	GGT	False	False	85	0.154645	12	79	False	2	3	0.000
SoctoA	GGA	False	False	40	0.130672	6	30	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	70	0.374574	7	59	False	4	5	0.000
CbuenA	GGA	False	False	49	0.189886	10	43	False	2	2	0.000
	GGT	False	False	138	0.180908	13	129	False	2	3	0.000
CdefoA	GGA	False	False	56	0.156228	11	51	False	2	2	0.000
	GGT	False	False	125	0.170643	13	115	False	4	4	0.000
CpseuA	GGA	False	False	15	0.203030	1	12	False	1	1	0.041
	GGT	False	False	25	0.201164	1	22	False	1	1	0.040
CchauA	GGA	False	False	75	0.167840	11	70	False	1	1	0.000

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
CvartA	GGT	False	False	109	0.176181	11	102	False	2	3	0.000
	GGA	False	False	96	0.111282	13	91	False	1	1	0.000
CdublA	GGT	False	False	79	0.161790	12	73	False	2	3	0.000
	GGA	False	False	41	0.115242	10	39	False	1	1	0.000
CorthB	GGT	False	False	130	0.120739	12	126	False	1	1	0.000
	GGA	False	False	50	0.102377	10	47	False	1	2	0.000
CorthC	GGA	False	False	50	0.101784	10	47	False	1	2	0.000
CorthA	GGA	False	False	46	0.126726	10	43	False	1	2	0.000
ClusiA	GGT	False	False	122	0.091702	12	115	False	2	3	0.000
MguilA	GGA	False	False	51	0.069885	10	45	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	137	0.119383	13	131	False	1	1	0.000
WmucoA	GGA	False	False	88	0.085711	12	83	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	90	0.186687	11	85	False	2	3	0.000
DhansA	GGT	False	False	96	0.148876	13	89	False	2	3	0.000
CsalmaA	GGA	False	False	42	0.155140	10	38	False	2	2	0.000
	GGT	False	False	127	0.298810	11	110	False	6	8	0.000
BcustA	GGA	False	False	108	0.260755	11	95	False	3	5	0.000
CtheaA	GGA	False	False	59	0.129086	11	56	False	1	2	0.000
MingeA	GGA	False	False	92	0.128343	11	86	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	90	0.199623	13	83	False	2	2	0.000
ScastA	GGT	False	False	76	0.117647	7	74	False	1	1	0.000
CmaltA	GGA	False	False	90	0.143492	12	87	False	1	2	0.000