

CoReTracker report

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count
Metaseiulus_occidentalis	GGT	False	False	18	0.267327	9	17	False	1	1
	GGA	False	False	16	0.233119	5	9	False	1	1
Schistosoma	GGG	False	False	24	0.218550	8	18	False	1	1
	GGT	False	False	63	0.187194	10	49	False	3	3
Aphrocallistes_vastus	GGA	False	False	88	0.076878	12	83	False	1	1
Paracentrotus	GGA	False	False	78	0.121991	12	77	False	1	1
Fasciola	GGG	False	False	39	0.065174	9	32	False	1	1
	GGT	False	False	61	0.065484	11	46	False	2	2
Trichobilharzia_regenti	GGG	False	False	35	0.331602	10	24	False	3	4
	GGT	False	False	74	0.097713	10	54	False	2	2
Versteria_mustelae	GGT	False	False	77	0.173128	11	61	False	4	5
Euseius_nicholsi	GGA	False	False	34	0.116173	8	32	False	1	1
Patiria	GGG	False	False	23	0.156841	10	22	False	1	1
	GGA	False	False	14	0.435424	7	11	False	1	1
Haplorchis_taichui	GGG	False	False	57	-0.006315	10	39	False	3	3
	GGT	False	False	34	0.267681	8	27	False	3	3
Halocynthia	GGG	False	False	22	0.392111	8	20	False	2	2
	GGT	False	False	42	0.110839	10	33	False	1	1
Limulus	GGA	False	False	61	0.101609	11	60	False	1	1
Echinococcus_equinus	GGA	False	False	13	0.270378	6	10	False	1	1
	GGT	False	False	63	0.025620	10	52	False	2	2
Taenia_crassiceps	GGA	False	False	21	0.343980	7	15	False	1	1
	GGT	False	False	58	0.073712	10	51	False	2	2
Axinella	GGT	False	False	28	0.283210	9	26	False	2	2
Terebratulina	GGA	False	False	68	0.098855	12	66	False	1	1
	GGA	False	False	28	0.143253	8	26	False	1	1
Suberites_domuncula	GGG	False	False	54	0.114435	11	49	False	1	1
	GGT	False	False	41	0.066167	11	38	False	1	1
Bfloridae	GGT	False	False	21	0.204301	6	20	False	1	1
Geodia	GGT	False	False	32	0.149600	10	28	False	1	1
	GGA	False	False	39	0.028458	8	35	False	1	1
Metridium	GGG	False	False	38	0.136119	11	36	False	1	1
	GGG	False	False	33	0.057453	10	25	False	2	2
Tetrancistrum_nebulosi	GGT	False	False	39	0.272485	9	28	False	3	3
	GGA	False	False	46	0.092760	9	44	False	1	1
Strigamia_maritima	GGG	False	False	46	0.215197	10	43	False	2	3
	GGC	False	False	16	0.239804	5	14	False	1	1
Trichinella	GGG	False	False	12	0.301927	5	10	False	1	1

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count
Amphimedon_queenslandica	GGA	False	False	27	0.093750	10	24	False	1	1
	GGG	False	False	82	0.106650	12	79	False	1	1
Acropora	GGC	False	False	17	0.147813	8	15	False	1	1
	GGG	False	False	68	0.021879	12	60	False	1	1
Pseudogarypus_banksi	GGT	False	False	29	0.080817	7	26	False	1	1
	GGA	False	False	51	0.155949	10	45	False	2	2
Benedenia_hoshinai	GGC	False	False	12	0.202991	8	9	False	1	1
	GGG	False	False	12	0.193966	7	11	False	1	1
Myxine	GGT	False	False	56	0.082800	10	43	False	1	1
	GGT	False	False	13	0.035857	8	12	False	1	1
Ciona	GGA	False	False	14	0.407678	7	11	False	1	1
Daphnia	GGC	False	False	21	0.180917	10	18	False	1	1
	GGG	False	False	69	0.142698	12	65	False	2	2
Caenorhabditis	GGA	False	False	29	0.120996	9	27	False	1	1
	GGT	False	False	59	0.210503	12	52	False	2	3
Ascidella_aspersa	GGA	False	False	14	0.149171	7	10	False	1	1
	GGG	False	False	44	-0.076251	9	37	False	1	1
Blanceolatum	GGT	False	False	42	0.133211	11	34	False	1	1
	GGT	False	False	23	0.227917	7	20	False	1	1