

CoReTracker report

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
CjadiA	GGT	False	False	69	-0.039923	12	65	False	1	1	0.000
PpastA	GGA	False	False	91	-0.024795	11	86	False	1	1	0.000
CphanA	GGT	False	False	114	-0.066548	12	102	False	1	1	0.000
CgallA	GGT	False	False	112	-0.042062	12	104	False	1	1	0.000
CbuenA	GGA	False	False	49	0.012178	10	43	False	1	1	0.056
CdefoA	GGT	False	False	125	-0.056518	13	115	False	1	1	0.000
HuvarA	GGT	False	False	75	-0.093294	6	64	False	1	1	0.000
YlipoB	GGT	False	False	119	-0.034963	13	110	False	1	1	0.000
YlipoA	GGT	False	False	119	-0.034963	13	110	False	1	1	0.000
CalaiA	GGT	False	False	130	-0.025427	11	124	False	1	1	0.000
CsantA	GGT	False	False	107	-0.121461	13	93	False	1	1	0.000
CalimA	GGA	False	False	69	-0.051631	12	61	False	1	1	0.000
SpombA	GGA	False	False	31	0.087531	6	26	False	1	1	0.000
BcustA	GGA	False	False	108	-0.043995	11	95	False	1	1	0.000
CsalmA	GGA	False	False	42	0.046660	10	38	False	1	1	0.000
CsubhB	GGA	False	False	72	-0.033284	12	68	False	1	1	0.000
CsubhA	GGA	False	False	72	-0.033284	12	68	False	1	1	0.000
PkluyA	GGA	False	False	143	-0.142726	13	125	False	1	1	0.000
OanguA	GGA	False	False	67	0.021664	13	63	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	94	-0.013329	12	86	False	1	1	0.000