

CoReTracker report

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
CfrijA	ATG	False	False	64	-0.316944	10	57	False	1	1	0.000
CbuenA	ATG	False	False	62	-0.289144	10	56	False	1	1	0.000
CviswA	ATG	False	False	65	-0.409570	10	55	False	1	1	0.000
NbaciA	ATG	False	False	53	-0.718897	6	34	False	1	1	0.000
CvartA	ATG	False	False	63	-0.446715	11	51	False	1	1	0.000
CdubIA	ATG	False	False	56	-0.262725	9	51	False	1	1	0.000
CalbiE	ATG	False	False	36	-0.243057	5	33	False	1	1	0.000
CalbiD	ATG	False	False	56	-0.262725	9	51	False	1	1	0.000
CalbiC	ATG	False	False	62	-0.278885	10	57	False	1	1	0.000
CalbiB	ATG	False	False	62	-0.278885	10	57	False	1	1	0.000
CalbiA	ATG	False	False	56	-0.262725	9	51	False	1	1	0.000
CtetrA	ATG	False	False	63	-0.331123	10	57	False	1	1	0.000
CgigaA	ATG	False	False	55	-0.354532	9	48	False	1	1	0.000
CsaraA	ATG	False	False	63	-0.370117	10	55	False	1	1	0.000
CtropB	ATG	False	False	63	-0.321488	10	57	False	1	1	0.000
CsuavA	ATG	False	False	62	-0.360821	10	51	False	1	1	0.000
CtropA	ATG	False	False	63	-0.321488	10	57	False	1	1	0.000
CcastA	ATG	False	False	41	-0.540737	6	30	False	1	1	0.000
CsojaA	ATG	False	False	43	-0.174335	7	41	False	1	1	0.000
CjadiA	ATG	False	False	63	-0.419317	10	52	False	1	1	0.000
CneerA	ATG	False	False	63	-0.298114	10	57	False	1	1	0.000
HuvarA	ATG	False	False	54	-0.647516	6	27	False	1	3	0.041
CmaltA	ATG	False	False	58	-0.260981	11	53	False	1	1	0.000