

# CoReTracker report

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
AgossA	CAA	False	False	27	0.082680	7	21	False	1	1	0.000
BarxA	CAA	False	False	8	0.406818	1	4	False	1	1	0.262
SarboA	CAA	False	False	22	0.133862	7	21	False	1	1	0.000
AgossB	CAA	False	False	28	0.078431	7	22	False	1	1	0.000
MingeA	CAA	False	False	44	-0.153188	12	35	False	1	1	0.000
MstarA	CAA	False	False	46	-0.137567	12	35	False	1	1	0.000
SpastA	CAA	False	False	19	0.149796	7	18	False	1	1	0.000
CsantA	CAA	False	False	24	0.633543	10	18	False	3	3	0.000
SjapoA	CAA	False	False	26	0.066567	7	15	False	2	2	0.000
AacerA	CAA	False	False	13	0.157857	2	10	False	1	1	0.009
SpombA	CAA	False	False	28	-0.089414	7	17	False	1	1	0.000
BcustA	CAA	False	False	37	0.091767	12	34	False	1	1	0.000
CzempA	CAA	False	False	26	0.274705	7	19	False	1	1	0.000
SoctoA	CAA	False	False	24	-0.092216	7	15	False	1	1	0.000
CmaltA	CAA	False	False	36	0.174734	12	32	False	1	1	0.000
NbaciA	CAA	False	False	26	-0.051005	7	21	False	1	1	0.000
ScryoA	CAA	False	False	25	-0.089793	7	16	False	1	1	0.000