

CoReTracker report

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
CnorvA	GCA	False	False	54	0.030588	11	47	False	1	1	0.000
	GCG	False	False	3	1.345196	3	2	False	1	1	0.013
MingeA	GCA	False	False	37	-0.036995	9	29	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	88	0.004689	12	63	False	1	1	0.000
CgallA	GCA	False	False	58	-0.007032	13	38	False	2	2	0.000
	GCT	False	False	86	0.012073	11	56	False	2	2	0.000
CviswA	GCA	False	False	44	0.088326	9	39	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	72	0.073512	12	70	False	1	1	0.000
CdefoA	GCA	False	False	61	-0.043617	13	38	False	2	2	0.000
	GCT	False	False	88	0.025995	11	58	False	2	2	0.000
PpastA	GCA	False	False	78	-0.012999	10	64	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	54	-0.010996	12	48	False	1	1	0.000
LdasiA	GCA	False	False	38	0.003996	6	30	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	57	0.060328	6	47	False	1	1	0.000
AgossA	GCA	False	False	12	0.101461	5	10	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	42	0.048953	6	36	False	1	1	0.000
LkluyF	GCA	False	False	51	0.012179	5	42	False	2	2	0.000
LkluyE	GCA	False	False	51	0.033121	5	43	False	2	2	0.000
LkluyD	GCA	False	False	50	0.044283	5	42	False	2	2	0.000
SpombA	GCA	False	False	22	-0.205704	6	10	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	68	-0.152566	6	40	False	1	1	0.000
LkluyA	GCA	False	False	51	0.012179	5	42	False	2	2	0.000
CtetrA	GCT	False	False	87	0.024257	13	82	False	1	1	0.000
CzempA	GCT	False	False	45	-0.132443	6	26	False	1	1	0.000
NbaciA	GCT	False	False	70	-0.076430	6	56	False	1	1	0.000
AacerA	GCT	False	False	16	0.252900	2	10	False	1	1	0.016
MmagnB	GCA	False	False	53	-0.057565	9	35	False	1	1	0.000
CgigaA	GCT	False	False	64	0.031070	10	54	False	1	1	0.000
MmagnA	GCA	False	False	51	-0.042666	9	33	False	1	1	0.000
CcoryA	GCT	False	False	95	-0.007849	13	83	False	2	2	0.000
CbohiA	GCA	False	False	36	0.048232	8	33	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	108	-0.065355	13	93	False	1	1	0.000
LstarA	GCA	False	False	37	-0.090051	7	25	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	71	-0.006709	10	46	False	1	1	0.000
MguilA	GCA	False	False	49	0.124401	9	46	False	1	1	0.000
WmucoA	GCT	False	False	85	0.021921	12	69	False	1	1	0.000
CsantA	GCT	False	False	52	-0.071823	10	35	False	1	1	0.000
MtetrA	GCA	False	False	32	-0.148707	8	26	False	1	1	0.000

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
CsaraA	GCT	False	False	75	0.102628	11	72	False	2	2	0.000
MfariA	GCT	False	False	68	0.008873	12	64	False	1	1	0.000
PkluyA	GCA	False	False	76	0.039468	9	58	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	39	0.036264	11	34	False	1	1	0.000
CalaiA	GCT	False	False	100	0.078195	10	88	False	1	1	0.000
PcanaA	GCT	False	False	89	-0.005369	11	71	False	1	1	0.000
WpijpA	GCT	False	False	49	0.104690	6	41	False	1	1	0.000
LmeyerA	GCT	False	False	61	0.126329	6	51	False	2	2	0.000
LanspB	GCA	False	False	36	-0.014286	5	28	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	58	0.080722	6	49	False	1	1	0.000
CphanaA	GCA	False	False	49	0.083845	12	32	False	1	2	0.000
	GCT	False	False	108	-0.001599	12	71	False	3	3	0.000
LanspA	GCG	False	False	1	2.951456	1	0	False	1	1	0.127
	GCT	False	False	58	-0.012020	6	51	False	1	1	0.000
MstarA	GCT	False	False	84	-0.041033	12	62	False	1	1	0.000
YlipoB	GCA	False	False	54	0.115901	11	37	False	2	3	0.000
	GCT	False	False	98	-0.052707	12	63	False	1	1	0.000
YlipoA	GCA	False	False	54	0.115901	11	37	False	2	3	0.000
	GCT	False	False	98	-0.052707	12	63	False	1	1	0.000
CsalmaA	GCA	False	False	25	0.081390	8	18	False	1	1	0.000
	GCC	False	False	7	-0.069012	4	1	False	1	1	0.001
	GCT	False	False	86	-0.079265	11	63	False	1	1	0.000
CjadiA	GCA	False	False	56	-0.018763	9	49	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	82	-0.037826	12	62	False	1	1	0.000
AgossB	GCA	False	False	11	0.112489	5	9	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	43	0.047386	6	37	False	1	1	0.000
CsubhA	GCC	False	False	80	0.128804	12	70	False	1	2	0.000
BcustA	GCT	False	False	66	0.067894	11	51	False	2	2	0.000
CglabA	GCT	False	False	50	-0.025071	6	41	False	1	1	0.000
CsubhB	GCC	False	False	80	0.128804	12	70	False	1	2	0.000
LkluyC	GCA	False	False	51	0.012179	5	42	False	2	2	0.000
OanguA	GCA	False	False	49	-0.087333	9	41	False	1	1	0.000
NdelpA	GCA	False	False	35	-0.121493	6	30	False	1	1	0.000
ScryoA	GCG	False	False	2	1.777273	1	1	False	1	1	0.045
	GCT	False	False	54	-0.279950	6	27	False	2	2	0.000
LnothA	GCA	False	False	36	-0.013503	6	29	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	62	0.042262	6	50	False	1	1	0.000
KtherA	GCA	False	False	39	-0.044710	6	28	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	58	0.061248	6	51	False	1	1	0.000
HuvarA	GCA	False	False	26	-0.017537	5	18	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	59	-0.087827	6	39	False	3	3	0.000

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
ScastA	GCA	False	False	26	0.104106	6	22	False	1	1	0.000
CcastA	GCT	False	False	57	0.096521	6	46	False	2	2	0.000
CalimA	GCA	False	False	42	0.078334	9	27	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	109	0.030291	12	69	False	3	4	0.000
KlactA	GCT	False	False	54	0.059501	6	42	False	2	2	0.000
CchauA	GCT	False	False	98	0.015439	13	83	False	2	2	0.000
CblacA	GCT	False	False	26	0.034990	1	22	False	1	1	0.061
BcaliA	GCA	False	False	55	-0.038789	10	51	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	77	0.087270	12	59	False	1	1	0.000
SoctoA	GCA	False	False	23	0.067635	5	12	False	2	2	0.000
	GCT	False	False	68	-0.224394	6	37	False	1	1	0.000
SjapoA	GCT	False	False	61	-0.096096	6	37	False	2	2	0.000