

CoReTracker report

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
candub	GGA	False	False	118	0.123382	17	107	False	3	3	0
	GGG	False	False	80	0.074272	16	72	False	3	3	0
	GGC	False	False	46	0.016512	14	38	False	1	1	0
zygro	GGG	False	False	41	0.037209	13	35	False	2	2	0
	GGT	False	False	260	0.057647	17	241	False	4	5	0
ogapa	GGC	False	False	119	-0.002802	16	102	False	2	2	0
	GGT	False	False	111	-0.022718	14	102	False	1	1	0
	GGA	False	False	112	0.052901	15	103	False	2	2	0
canta	GGC	False	False	77	0.067361	15	65	False	4	4	0
	GGT	False	False	202	0.048665	17	185	False	3	3	0
	GGA	False	False	95	0.041103	16	84	False	3	3	0
cybja	GGC	False	False	56	0.199167	16	51	False	2	2	0
	GGG	False	False	48	0.024319	14	44	False	2	2	0
	GGT	False	False	217	0.073993	17	200	False	5	6	0
meygui	GGA	False	False	141	0.134738	17	127	False	7	7	0
	GGT	False	False	116	0.067748	16	112	False	2	2	0
clalu	GGA	False	False	103	0.031250	15	93	False	1	1	0
	GGC	False	False	96	0.017090	16	89	False	2	2	0
	GGG	False	False	38	0.207970	13	32	False	2	2	0
	GGT	False	False	134	0.061533	16	129	False	2	2	0
pacta	GGA	False	False	115	0.061987	16	105	False	3	4	0
	GGG	False	False	40	0.319428	13	37	False	3	3	0
	GGT	False	False	229	0.036515	17	214	False	3	4	0
klula	GGC	False	False	47	-0.006030	15	41	False	1	1	0
	GGG	False	False	47	0.137275	13	43	False	2	2	0
	GGT	False	False	197	0.079005	17	187	False	3	6	0
canalb	GGA	False	False	120	0.020586	17	108	False	2	2	0
	GGG	False	False	75	0.189308	16	69	False	3	4	0
cangla	GGA	False	False	87	-0.025796	14	78	False	1	1	0
	GGC	False	False	58	0.004098	14	49	False	1	2	0
	GGG	False	False	48	-0.046489	16	43	False	1	1	0
	GGT	False	False	215	0.024824	17	200	False	3	4	0
torde	GGA	False	False	96	-0.003949	16	88	False	1	1	0
	GGC	False	False	63	0.003012	13	57	False	1	1	0
	GGT	False	False	203	0.035522	17	190	False	2	5	0
erecy	GGG	False	False	76	0.068266	15	65	False	2	5	0
	GGT	False	False	161	0.065882	16	150	False	3	4	0
yarli	GGA	False	False	150	0.000000	17	129	False	3	3	0

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
picpa	GGC	False	False	124	-0.036923	17	98	False	3	3	0
	GGT	False	False	132	0.028561	17	122	False	2	2	0
	GGA	False	False	146	-0.036051	16	135	False	1	1	0
	GGC	False	False	56	-0.012100	16	49	False	2	2	0
	GGT	False	False	133	0.010276	16	123	False	1	2	0
sacce	GGA	False	False	87	0.012617	16	80	False	2	2	0
	GGC	False	False	73	-0.058518	17	68	False	1	1	0
	GGG	False	False	60	0.053840	16	57	False	1	1	0
ashgo	GGT	False	False	194	0.040722	16	182	False	2	4	0
	GGA	False	False	69	0.083791	15	65	False	2	2	0
	GGC	False	False	128	-0.026141	15	116	False	2	2	0
	GGG	False	False	112	-0.012293	17	104	False	1	1	0
	GGT	False	False	117	0.050020	14	108	False	2	3	0
debha	GGA	False	False	114	0.107307	17	106	False	4	4	0
	GGC	False	False	43	0.086570	13	40	False	1	1	0
	GGG	False	False	68	0.086957	16	64	False	2	3	0
kazaf	GGA	False	False	73	0.077821	17	66	False	1	1	0
	GGG	False	False	42	0.087937	10	38	False	1	1	0
	GGT	False	False	253	0.077786	17	237	False	4	8	0
wican	GGA	False	False	50	-0.044049	12	46	False	1	1	0
	GGT	False	False	270	0.092243	15	249	False	5	8	0
	GGA	False	False	114	0.200908	16	103	False	6	6	0
cantro	GGG	False	False	45	0.051653	11	41	False	1	1	0
	GGT	False	False	184	0.076864	17	169	False	5	5	0
	GGA	False	False	104	-0.116002	16	84	False	1	1	0
picme	GGC	False	False	97	0.045120	17	82	False	2	2	0
	GGT	False	False	160	0.063760	14	146	False	3	5	0