

CoReTracker report

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
LmeyeA	ATG	False	False	43	-0.845209	6	38	False	1	1	0.000
CgallA	ATG	False	False	61	-0.934098	11	42	False	1	1	0.000
CdefoA	ATG	False	False	61	-0.934098	11	42	False	1	1	0.000
MstarA	ATG	False	False	56	-0.810510	10	39	False	1	1	0.000
LkluyF	ATG	False	False	45	-0.852018	6	39	False	1	1	0.000
LkluyE	ATG	False	False	45	-0.852018	6	39	False	1	1	0.000
CchauA	ATG	False	False	64	-0.854841	12	56	False	1	1	0.000
NbaciA	ATG	False	False	53	-0.708741	6	34	False	1	1	0.000
LkluyB	ATG	False	False	17	-0.591815	1	16	False	1	1	0.251
LkluyA	ATG	False	False	45	-0.852018	6	39	False	1	1	0.000
ClusiA	ATG	False	False	62	-0.817602	10	56	False	1	1	0.000
MmagnB	ATG	False	False	57	-0.804982	11	39	False	1	1	0.000
ScereC	ATG	False	False	47	-0.846626	6	34	False	1	1	0.000
MmagnA	ATG	False	False	57	-0.804982	11	39	False	1	1	0.000
CbohiA	ATG	False	False	65	-0.856303	11	56	False	1	1	0.000
SpastA	ATG	False	False	49	-0.837351	6	35	False	1	1	0.000
MtetrA	ATG	False	False	58	-0.799028	10	38	False	1	1	0.000
ScereA	ATG	False	False	47	-0.846626	6	34	False	1	1	0.000
ScereD	ATG	False	False	47	-0.846626	6	34	False	1	1	0.000
ScereE	ATG	False	False	47	-0.847049	6	35	False	1	1	0.000
PcanaA	ATG	False	False	61	-0.877658	10	52	False	1	1	0.000
LanspB	ATG	False	False	43	-0.845209	6	38	False	1	1	0.000
CphanA	ATG	False	False	60	-0.932897	10	42	False	1	1	0.000
LanspA	ATG	False	False	43	-0.842752	6	37	False	1	1	0.000
LdasiA	ATG	False	False	42	-0.845222	6	38	False	1	1	0.000
YlipoB	ATG	False	False	59	-0.916862	11	42	False	1	1	0.000
YlipoA	ATG	False	False	59	-0.916862	11	42	False	1	1	0.000
LnothA	ATG	False	False	42	-0.845222	6	38	False	1	1	0.000
CglabA	ATG	False	False	50	-0.750479	6	37	False	1	1	0.000
NdelpA	ATG	False	False	50	-0.746360	6	37	False	1	1	0.000
MingeA	ATG	False	False	55	-0.784959	10	39	False	1	1	0.000
SarboA	ATG	False	False	42	-0.833104	6	30	False	1	1	0.000
KtherA	ATG	False	False	43	-0.848783	6	38	False	1	1	0.000
HuvarA	ATG	False	False	54	-0.858052	6	27	False	1	1	0.000
CalimA	ATG	False	False	61	-0.934098	10	42	False	1	1	0.000
KlactA	ATG	False	False	41	-0.771979	6	36	False	1	1	0.000
LkluyD	ATG	False	False	44	-0.848690	6	38	False	1	1	0.000
LkluyC	ATG	False	False	45	-0.852018	6	39	False	1	1	0.000

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
KmarxA	ATG	False	False	17	-0.591815	1	16	False	1	1	0.251