

CoReTracker report

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
CnorvA	GGT	False	False	119	-3.629329	12	107	False	1	1	0.000
CzempA	GGT	False	False	77	-3.347848	7	64	False	1	1	0.000
CgigaA	GGG	False	False	39	-3.502278	9	37	False	1	1	0.000
MguilA	GGA	False	False	51	-3.504932	10	45	False	1	1	0.000
WmucoA	GGA	False	False	88	-3.696934	12	83	False	1	1	0.000
MtetrA	GGA	False	False	93	-3.527957	13	83	False	1	1	0.051
SpombA	GGT	False	False	87	-3.221942	7	67	False	1	1	0.000
CsuavA	GGT	False	False	75	-3.660691	11	71	False	1	1	0.000
BcaliA	GGT	False	False	85	-3.666759	12	79	False	1	1	0.000
PkluyA	GGA	False	False	143	-3.477285	13	125	False	2	2	0.000
WpijpA	GGA	False	False	75	-3.707645	7	72	False	1	1	0.000
DhansA	GGA	False	False	92	-3.571364	12	82	False	1	1	0.000
ClusiA	GGT	False	False	122	-3.653640	12	115	False	1	1	0.000
PcanaA	GGT	False	False	102	-3.651213	13	94	False	1	1	0.000
CvartA	GGT	False	False	79	-3.624211	12	73	False	1	1	0.000