

# CoReTracker report

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
BarxA	CAA	False	False	8	0.292045	1	4	False	1	1	0.268
MmagnB	CAA	False	False	38	-0.167087	11	29	False	1	1	0.000
CphanA	CAA	False	False	42	-0.120423	12	36	False	1	1	0.000
CgallA	CAA	False	False	41	-0.077229	12	36	False	1	1	0.000
MmagnA	CAA	False	False	39	-0.209866	11	29	False	1	1	0.000
CdefoA	CAA	False	False	42	-0.120423	12	36	False	1	1	0.000
LstarA	CAA	False	False	33	-0.252025	8	23	False	1	1	0.000
MstarA	CAA	False	False	46	-0.215139	12	35	False	1	1	0.000
YlipoB	CAA	False	False	41	-0.093510	12	36	False	1	1	0.000
YlipoA	CAA	False	False	41	-0.093510	12	36	False	1	1	0.000
CsalmA	CAA	False	False	40	0.125034	11	30	False	2	3	0.037
CsantA	CAG	False	False	22	-0.107022	10	15	False	2	2	0.000
CalimA	CAA	False	False	41	-0.120530	12	35	False	1	1	0.000
SjapoA	CAA	False	False	26	-0.150242	7	15	False	1	1	0.000
SpombA	CAA	False	False	28	-0.028434	7	17	False	1	1	0.000
CzempA	CAA	False	False	26	-0.238938	7	19	False	1	1	0.000
SoctoA	CAA	False	False	24	0.112974	7	15	False	1	1	0.000
MtetrA	CAG	False	False	19	0.204660	9	17	False	1	1	0.000
MingeA	CAG	False	False	1	3.929577	1	0	False	1	1	0.293
ScryoA	CAA	False	False	25	0.108979	7	16	False	1	1	0.000