

CoReTracker report

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
CgallA	AAA	False	False	39	0.201914	11	33	False	1	1	0.116
CdefoA	AAA	False	False	39	0.201914	11	33	False	1	1	0.116
PpastA	AAA	False	False	44	0.131915	12	41	False	1	1	0.208
SjapoA	AAA	False	False	20	-0.004876	6	9	False	1	3	0.142
NbaciA	AAA	False	False	22	0.268421	6	19	False	1	1	0.208
ClusiA	AAA	False	False	45	0.063787	12	42	False	1	1	0.208
SpombA	AAA	False	False	16	-0.334748	6	9	False	1	1	0.116
LstarA	AAA	False	False	28	0.329480	8	25	False	1	1	0.116
MguilA	AAA	False	False	44	0.074316	11	42	False	1	1	0.208
SpastA	AAA	False	False	20	0.176556	7	18	False	1	1	0.208
ScereC	AAA	False	False	19	0.205674	7	17	False	1	1	0.116
ScereA	AAA	False	False	19	0.205674	7	17	False	1	1	0.116
ScereD	AAA	False	False	20	0.176556	7	18	False	1	1	0.208
ScereE	AAA	False	False	20	0.176556	7	18	False	1	1	0.208
PkluyA	AAA	False	False	45	0.047890	13	39	False	1	1	0.208
CcastA	AAA	False	False	21	0.242313	6	18	False	1	1	0.208
CphanA	AAA	False	False	40	0.195879	11	34	False	1	1	0.116
YlipoB	AAA	False	False	40	0.195129	11	32	False	1	1	0.116
YlipoA	AAA	False	False	40	0.195129	11	32	False	1	1	0.116
CsubhA	AAA	False	False	4	1.139601	4	3	False	1	1	0.331
CglabA	AAA	False	False	19	0.205674	7	17	False	1	1	0.116
CsubhB	AAA	False	False	4	1.139601	4	3	False	1	1	0.331
NdelpA	AAA	False	False	19	0.205674	7	17	False	1	1	0.208
ScryoA	AAA	False	False	20	-0.404369	6	10	False	1	1	0.269
CsakeA	AAA	False	False	43	0.135034	11	42	False	1	1	0.208
SarboA	AAA	False	False	21	0.104004	7	18	False	1	1	0.208
CalimA	AAA	False	False	41	0.192209	11	35	False	1	1	0.208
SoctoA	AAA	False	False	21	-0.387679	6	10	False	1	1	0.269