

CoReTracker report

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
CnorvA	GGA	False	False	59	-1.877826	12	58	False	1	1	0.000
LmeyeA	GGA	False	False	33	-1.808449	6	32	False	1	1	0.000
PpastA	GGT	False	False	84	-1.784595	13	78	False	2	2	0.000
LdasiA	GGA	False	False	36	-1.793651	6	34	False	1	1	0.000
LkluyF	GGT	False	False	78	-1.885931	7	76	False	1	1	0.000
LkluyE	GGT	False	False	78	-1.886325	7	76	False	1	1	0.000
LkluyD	GGT	False	False	78	-1.886884	7	76	False	1	1	0.000
NbaciA	GGT	False	False	78	-1.848704	6	73	False	1	1	0.000
CvartA	GGA	False	False	96	-1.881013	13	91	False	1	1	0.000
LkluyA	GGT	False	False	78	-1.885931	7	76	False	1	1	0.000
LstarA	GGT	False	False	96	-1.737382	8	81	False	2	2	0.000
MguilA	GGT	False	False	137	-1.870357	13	131	False	1	1	0.000
WmucoA	GGA	False	False	88	-1.887652	12	83	False	1	1	0.000
CsuavA	GGA	False	False	96	-1.872853	12	89	False	1	1	0.000
MfariA	GGT	False	False	103	-1.821425	13	98	False	2	2	0.000
PkluyA	GGA	False	False	143	-1.884854	13	125	False	1	1	0.000
MfariB	GGA	False	False	87	-1.848063	13	83	False	1	1	0.000
PcanaA	GGA	False	False	70	-1.858211	11	66	False	1	1	0.000
DhansA	GGA	False	False	92	-1.844173	12	82	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	96	-1.883895	13	89	False	1	1	0.000
LanspB	GGA	False	False	34	-1.791772	6	32	False	1	1	0.000
LanspA	GGT	False	False	75	-1.888082	7	73	False	1	1	0.000
Csalma	GGA	False	False	42	-1.750829	10	38	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	127	-1.819162	11	110	False	1	1	0.000
BcustA	GGT	False	False	64	-1.814795	13	59	False	1	1	0.000
Agossa	GGT	False	False	102	-1.879217	7	96	False	1	1	0.000
AgossB	GGT	False	False	100	-1.876483	7	94	False	1	1	0.000
CsubhA	GGC	False	False	22	-1.678328	8	18	False	1	1	0.000
CglabA	GGA	False	False	42	-1.756474	6	40	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	69	-1.841066	7	64	False	1	1	0.000
CsubhB	GGC	False	False	22	-1.678328	8	18	False	1	1	0.000
OanguA	GGA	False	False	67	-1.857457	13	63	False	1	1	0.000
NdelpA	GGA	False	False	31	-1.685152	7	29	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	81	-1.849005	6	75	False	1	1	0.000
CjadiA	GGA	False	False	106	-1.867478	13	99	False	1	1	0.000
CsakeA	GGT	False	False	122	-1.867628	12	115	False	1	1	0.000
LnothA	GGA	False	False	37	-1.811243	6	35	False	1	1	0.000
CpseuA	GGA	False	False	15	-1.436970	1	12	False	1	1	0.092

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
HuvarA	GGA	False	False	32	-1.685945	6	25	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	75	-1.711751	6	64	False	2	2	0.000
ScastA	GGT	False	False	76	-1.877211	7	74	False	1	1	0.000
KtherA	GGA	False	False	42	-1.832766	7	40	False	1	1	0.000
KlactA	GGT	False	False	67	-1.869311	7	65	False	1	1	0.000
BcaliA	GGA	False	False	95	-1.852872	13	88	False	1	1	0.000
LkluyC	GGT	False	False	78	-1.885931	7	76	False	1	1	0.000
WpijpA	GGA	False	False	75	-1.893584	7	72	False	1	1	0.000