

CoReTracker report

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
LmeyeA	GGT	False	False	75	0.118845	7	72	False	2	2	0.000
SpombA	GGA	False	False	31	0.134214	6	26	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	87	0.277674	7	67	False	3	6	0.000
SpastA	GGA	False	False	27	0.243329	6	25	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	82	0.153846	7	79	False	3	3	0.000
AacerA	GGT	False	False	44	0.129533	2	43	False	1	1	0.067
CmetaD	GGT	False	False	127	0.102329	13	126	False	1	1	0.000
	GGA	False	False	49	0.097592	10	48	False	1	1	0.000
CgigaA	GGC	False	False	9	0.388060	4	7	False	1	1	0.000
	GGG	False	False	39	0.197039	9	37	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	70	0.122908	12	65	False	1	2	0.000
	GGA	False	False	35	0.301142	11	32	False	2	2	0.000
CsantA	GGC	False	False	14	0.700969	7	10	False	2	3	0.002
	GGT	False	False	107	0.109151	13	93	False	3	3	0.000
CtropB	GGG	False	False	18	0.112116	8	15	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	118	0.195279	12	112	False	3	5	0.000
CtropA	GGG	False	False	19	0.076314	8	16	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	117	0.205861	12	111	False	3	5	0.000
WpijpA	GGT	False	False	32	0.374262	6	29	False	2	2	0.000
BarxA	GGA	False	False	17	0.189305	1	15	False	1	1	0.036
	GGT	False	False	23	0.281757	1	22	False	1	1	0.036
CoxycA	GGA	False	False	8	0.423208	1	7	False	1	1	0.045
	GGT	False	False	31	0.230340	1	28	False	1	1	0.036
	GGA	False	False	72	0.117463	12	68	False	1	2	0.051
CsubhA	GGG	False	False	55	0.173350	10	53	False	2	2	0.052
	GGT	False	False	38	0.214205	10	36	False	1	2	0.056
	GGA	False	False	72	0.117463	12	68	False	1	2	0.051
CsubhB	GGG	False	False	55	0.173350	10	53	False	2	2	0.052
	GGT	False	False	38	0.214205	10	36	False	1	2	0.056
OanguA	GGA	False	False	67	0.062480	13	63	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	94	0.171710	12	86	False	3	3	0.000
SarboA	GGA	False	False	34	0.197167	6	32	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	78	0.166544	7	75	False	3	3	0.000
CcastA	GGT	False	False	65	0.222141	7	63	False	2	2	0.000
KtherA	GGA	False	False	42	0.091899	7	40	False	1	1	0.051
	GGT	False	False	68	0.104316	6	66	False	1	1	0.051
CblacA	GGT	False	False	37	0.236480	1	33	False	1	2	0.036
CnorvA	GGT	False	False	119	0.227387	12	107	False	4	5	0.000

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
CviswA	GGA	False	False	69	0.116980	12	66	False	2	2	0.000
	GGT	False	False	113	0.219146	12	106	False	2	5	0.000
MstarA	GGA	False	False	59	0.254322	10	55	False	3	3	0.000
	GGT	False	False	124	0.218671	13	115	False	5	6	0.000
NbaciA	GGA	False	False	32	0.097583	6	30	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	78	0.178449	6	73	False	2	2	0.000
CalbiD	GGT	False	False	132	0.162519	11	127	False	2	4	0.000
CbohiA	GGA	False	False	41	0.166233	9	37	False	1	2	0.060
	GGT	False	False	142	0.129446	12	136	False	2	2	0.055
LstarA	GGT	False	False	96	0.245268	8	81	False	5	6	0.000
MfariA	GGA	False	False	76	0.342034	12	68	False	2	7	0.000
	GGG	False	False	12	0.271443	5	11	False	1	1	0.000
MfariB	GGA	False	False	87	0.137772	13	83	False	1	3	0.000
	GGT	False	False	99	0.160642	11	93	False	2	3	0.000
CalaiA	GGA	False	False	39	0.264821	11	36	False	2	3	0.000
	GGT	False	False	130	0.099595	11	124	False	1	2	0.000
LanspB	GGA	False	False	34	0.109890	6	32	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	70	0.098309	7	68	False	1	1	0.000
CphanA	GGA	False	False	69	0.134458	13	66	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	114	0.131409	12	102	False	3	3	0.000
LanspA	GGA	False	False	36	0.176206	6	33	False	2	2	0.055
CsojaA	GGA	False	False	35	0.152656	7	33	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	97	0.186770	8	92	False	2	4	0.000
CglabA	GGA	False	False	42	0.143798	6	40	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	69	0.220519	7	64	False	3	3	0.000
ScryoA	GGA	False	False	40	0.438960	7	29	False	3	5	0.000
	GGT	False	False	72	0.191839	6	61	False	1	2	0.000
CneerA	GGT	False	False	143	0.234883	13	133	False	3	7	0.000
CsakeA	GGA	False	False	63	0.318092	11	58	False	2	5	0.000
	GGT	False	False	122	0.156537	12	115	False	2	3	0.000
HuvarA	GGA	False	False	32	0.194186	6	25	False	2	2	0.000
	GGT	False	False	75	0.232476	6	64	False	2	3	0.000
CjiufA	GGT	False	False	120	0.131770	13	116	False	2	3	0.000
KlactA	GGA	False	False	43	0.151596	6	42	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	67	0.140534	7	65	False	1	1	0.000
CzempA	GGT	False	False	77	0.450236	7	64	False	5	7	0.000
CmetaB	GGT	False	False	126	0.103313	13	125	False	1	1	0.000
CmetaC	GGT	False	False	127	0.102329	13	126	False	1	1	0.000
CmetaA	GGT	False	False	127	0.102329	13	126	False	1	1	0.000
CmetaF	GGT	False	False	127	0.102329	13	126	False	1	1	0.000
CfrijA	GGA	False	False	41	0.174897	11	38	False	2	2	0.000

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
CgallA	GGT	False	False	149	0.207431	13	141	False	3	6	0.000
	GGA	False	False	68	0.143264	13	61	False	1	2	0.000
	GGT	False	False	112	0.123941	12	104	False	2	2	0.000
CmetaE	GGT	False	False	127	0.102329	13	126	False	1	1	0.000
PpastA	GGA	False	False	91	0.179333	11	86	False	2	2	0.000
	GGT	False	False	84	0.120563	13	78	False	2	2	0.000
SjapoA	GGT	False	False	82	0.284550	7	70	False	4	5	0.000
CalbiE	GGT	False	False	75	0.208871	6	70	False	2	4	0.000
CtetrA	GGA	False	False	30	0.096850	8	27	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	147	0.238934	12	137	False	3	8	0.000
CalbiC	GGT	False	False	137	0.133471	12	132	False	2	4	0.000
CalbiB	GGT	False	False	137	0.133471	12	132	False	2	4	0.000
CalbiA	GGT	False	False	129	0.153840	11	124	False	2	4	0.000
MmagnB	GGA	False	False	109	0.209062	13	101	False	5	5	0.000
	GGG	False	False	45	0.274387	11	43	False	2	2	0.000
	GGT	False	False	33	0.271323	11	29	False	2	2	0.000
MmagnA	GGA	False	False	110	0.201873	13	103	False	4	4	0.000
	GGG	False	False	42	0.262133	11	39	False	3	3	0.000
	GGT	False	False	35	0.311372	11	31	False	2	2	0.000
CparaA	GGT	False	False	114	0.062281	11	113	False	1	1	0.000
CcoryA	GGA	False	False	44	0.192974	11	40	False	1	1	0.056
	GGT	False	False	138	0.167566	12	131	False	2	5	0.051
CparaC	GGT	False	False	143	0.121585	12	138	False	2	3	0.000
CparaB	GGT	False	False	143	0.122856	12	138	False	2	3	0.000
CparaE	GGT	False	False	143	0.121585	12	138	False	2	3	0.000
CparaD	GGT	False	False	143	0.122856	12	138	False	2	3	0.000
CparaF	GGT	False	False	143	0.121585	12	138	False	2	3	0.000
MtetrA	GGA	False	False	93	0.275785	13	83	False	4	6	0.000
	GGG	False	False	63	0.218077	12	59	False	3	3	0.000
CsaraA	GGA	False	False	80	0.201437	13	77	False	2	2	0.000
	GGT	False	False	99	0.202817	11	92	False	2	5	0.000
CsuavA	GGA	False	False	96	0.139657	12	89	False	2	3	0.000
	GGT	False	False	75	0.184521	11	71	False	2	2	0.000
PkluyA	GGA	False	False	143	0.201333	13	125	False	6	7	0.000
	GGT	False	False	39	0.201340	10	37	False	1	1	0.000
PcanaA	GGT	False	False	102	0.192700	13	94	False	3	4	0.000
YlipoB	GGA	False	False	63	0.132866	12	57	False	1	2	0.000
	GGT	False	False	119	0.127077	13	110	False	2	2	0.000
YlipoA	GGA	False	False	62	0.095995	12	57	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	119	0.127077	13	110	False	2	2	0.000
CjadiA	GGA	False	False	106	0.140436	13	99	False	2	2	0.000

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
AgossB	GGT	False	False	69	0.164520	12	65	False	3	3	0.000
	GGT	False	False	100	0.212400	7	94	False	5	5	0.000
NdelpA	GGA	False	False	31	0.232727	7	29	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	81	0.195168	6	75	False	3	3	0.000
LelonA	GGA	False	False	56	0.161206	11	53	False	2	2	0.000
	GGT	False	False	130	0.089574	13	128	False	1	1	0.000
LkluyF	GGA	False	False	31	0.136560	6	30	False	1	1	0.056
CalimA	GGA	False	False	69	0.177192	12	61	False	2	3	0.000
	GGT	False	False	113	0.084941	12	106	False	1	1	0.000
LkluyD	GGA	False	False	31	0.147277	6	30	False	1	1	0.000
BcaliA	GGA	False	False	95	0.195418	13	88	False	3	3	0.000
	GGT	False	False	85	0.160183	12	79	False	2	2	0.000
SoctoA	GGA	False	False	40	0.231171	6	30	False	2	3	0.000
	GGT	False	False	70	0.314282	7	59	False	3	4	0.000
CbuenA	GGA	False	False	49	0.144892	10	43	False	1	2	0.000
	GGT	False	False	138	0.181146	13	129	False	3	5	0.000
CdefoA	GGA	False	False	56	0.107552	11	51	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	125	0.146784	13	115	False	3	3	0.000
LdasiA	GGA	False	False	36	0.114550	6	34	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	71	0.104646	7	69	False	1	1	0.000
CpseuA	GGT	False	False	25	0.276100	1	22	False	1	2	0.047
LkluyE	GGA	False	False	32	0.131241	6	31	False	1	1	0.000
CchauA	GGA	False	False	75	0.191263	11	70	False	2	3	0.051
	GGT	False	False	109	0.206582	11	102	False	2	4	0.051
LkluyC	GGA	False	False	31	0.136560	6	30	False	1	1	0.056
CvartA	GGA	False	False	96	0.151458	13	91	False	2	3	0.000
	GGT	False	False	79	0.187894	12	73	False	2	2	0.000
LkluyA	GGA	False	False	31	0.136560	6	30	False	1	1	0.056
CdubIA	GGT	False	False	130	0.145844	12	126	False	2	3	0.000
CorthB	GGT	False	False	136	0.143772	13	133	False	2	3	0.000
CorthC	GGT	False	False	137	0.143581	13	134	False	2	3	0.000
CorthA	GGT	False	False	137	0.130894	13	134	False	2	3	0.000
ClusiA	GGA	False	False	66	0.162205	12	64	False	1	2	0.000
	GGT	False	False	122	0.054712	12	115	False	1	1	0.000
MguilA	GGA	False	False	51	0.175446	10	45	False	1	3	0.000
	GGT	False	False	137	0.174899	13	131	False	2	4	0.000
WmucoA	GGA	False	False	88	0.084764	12	83	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	90	0.199823	11	85	False	2	2	0.000
ScereC	GGA	False	False	28	0.246279	6	26	False	1	1	0.000
	GGG	False	False	5	0.860902	3	4	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	80	0.148569	7	77	False	3	3	0.000

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
ScereA	GGA	False	False	26	0.263560	6	24	False	1	1	0.000
	GGG	False	False	6	0.722397	3	5	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	82	0.152166	7	79	False	3	3	0.000
ScereD	GGG	False	False	4	1.057737	2	3	False	1	1	0.001
	GGT	False	False	79	0.157282	7	76	False	3	3	0.000
ScereE	GGG	False	False	4	1.057737	2	3	False	1	1	0.001
	GGT	False	False	81	0.153336	7	78	False	3	3	0.000
DhansA	GGA	False	False	92	0.254065	12	82	False	1	7	0.000
	GGT	False	False	96	0.104635	13	89	False	2	2	0.000
CsalmA	GGT	False	False	127	0.268110	11	110	False	5	6	0.000
LnothA	GGA	False	False	37	0.086643	6	35	False	1	1	0.051
	GGT	False	False	72	0.119253	7	70	False	1	1	0.051
BcustA	GGA	False	False	108	0.227078	11	95	False	4	5	0.000
	GGG	False	False	10	0.164912	5	9	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	64	0.284726	13	59	False	3	4	0.000
CtheaA	GGT	False	False	124	0.126067	13	122	False	2	2	0.000
AgossA	GGT	False	False	102	0.207646	7	96	False	5	5	0.000
MingeA	GGA	False	False	92	0.259098	11	86	False	3	5	0.000
	GGT	False	False	90	0.194350	13	83	False	4	4	0.000
ScastA	GGA	False	False	32	0.157910	6	30	False	1	1	0.000
CmaltA	GGA	False	False	90	0.104915	12	87	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	98	0.085727	13	96	False	1	1	0.000