

CoReTracker report

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
LmeyeA	ATG	False	False	43	1.887425	6	38	False	1	1	0.000
SpombA	ATG	False	False	40	1.865750	6	23	False	4	6	0.147
SpastA	ATG	False	False	49	2.104448	6	35	False	3	9	0.123
AacerA	ATG	False	False	31	2.331134	2	18	False	2	9	0.161
CgigaA	ATG	False	False	55	1.984284	9	48	False	4	4	0.000
CsantA	ATG	False	False	58	1.921163	11	37	False	8	12	0.127
CtropB	ATG	False	False	63	1.963799	10	57	False	2	2	0.000
CtropA	ATG	False	False	63	1.963799	10	57	False	2	2	0.000
WpijpA	ATG	False	False	45	2.117785	6	38	False	3	4	0.000
BarxA	ATG	False	False	13	2.247552	1	10	False	1	2	0.252
CsubhA	ATG	False	False	68	2.079213	11	53	False	6	8	0.029
CsubhB	ATG	False	False	68	2.079213	11	53	False	6	8	0.029
OanguA	ATG	False	False	54	1.855166	11	45	False	2	2	0.000
SarboA	ATG	False	False	42	2.038462	6	30	False	3	7	0.172
CcastA	ATG	False	False	41	1.706739	6	30	False	3	4	0.000
KtherA	ATG	False	False	43	1.877597	6	38	False	1	1	0.000
CblacA	ATG	False	False	18	2.141557	1	15	False	1	2	0.112
CnorvA	ATG	False	False	59	2.153626	10	52	False	5	6	0.003
CviswA	ATG	False	False	65	2.003406	10	55	False	3	6	0.002
MstarA	ATG	False	False	56	1.969297	10	39	False	5	10	0.111
NbaciA	ATG	False	False	53	1.825535	6	34	False	5	8	0.105
CalbiD	ATG	False	False	56	1.974364	9	51	False	2	2	0.000
CbohiA	ATG	False	False	65	2.096506	11	56	False	6	6	0.003
LstarA	ATG	False	False	63	1.899207	9	40	False	5	10	0.100
MfariA	ATG	False	False	64	1.965926	10	56	False	4	4	0.000
MfariB	ATG	False	False	56	2.008139	10	54	False	2	2	0.000
CalaiA	ATG	False	False	59	2.041943	9	50	False	5	5	0.000
LanspB	ATG	False	False	43	1.887425	6	38	False	1	1	0.000
CphanA	ATG	False	False	60	2.037712	10	42	False	4	9	0.076
LanspA	ATG	False	False	43	1.940362	6	37	False	2	3	0.000
CglabA	ATG	False	False	50	2.081449	6	37	False	4	6	0.006
ScryoA	ATG	False	False	40	1.831474	6	24	False	3	7	0.102
CneerA	ATG	False	False	63	1.986980	10	57	False	3	3	0.000
CsakeA	ATG	False	False	59	1.968683	10	54	False	2	2	0.000
HuvarA	ATG	False	False	54	1.445289	6	27	False	6	10	0.161
CjiufA	ATG	False	False	60	2.065921	10	56	False	3	3	0.000
KlactA	ATG	False	False	41	2.056182	6	36	False	2	4	0.000
CzempA	ATG	False	False	37	1.994592	7	19	False	6	10	0.160

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
CfrijA	ATG	False	False	64	2.014189	10	57	False	3	4	0.000
CgallA	ATG	False	False	61	2.035994	11	42	False	4	9	0.076
PpastA	ATG	False	False	58	1.912922	11	48	False	2	3	0.000
SjapoA	ATG	False	False	35	1.385493	5	18	False	3	5	0.013
CalbiE	ATG	False	False	36	1.960063	5	33	False	1	1	0.000
CtetrA	ATG	False	False	63	1.960371	10	57	False	3	3	0.000
CalbiC	ATG	False	False	62	1.964527	10	57	False	2	2	0.000
CalbiB	ATG	False	False	62	1.964527	10	57	False	2	2	0.000
CalbiA	ATG	False	False	56	1.974364	9	51	False	2	2	0.000
MmagnB	ATG	False	False	57	1.990959	11	39	False	5	9	0.084
MmagnA	ATG	False	False	57	1.990959	11	39	False	5	9	0.084
CcoryA	ATG	False	False	66	2.015623	12	57	False	6	6	0.005
MtetrA	ATG	False	False	58	2.048802	10	38	False	5	11	0.124
CsaraA	ATG	False	False	63	1.990317	10	55	False	3	4	0.000
CsuavA	ATG	False	False	62	2.029427	10	51	False	5	8	0.065
PkluyA	ATG	False	False	60	1.920760	11	45	False	5	6	0.004
PcanaA	ATG	False	False	61	2.118160	10	52	False	5	6	0.003
CsalmA	ATG	False	False	55	2.370104	9	30	False	8	15	0.129
YlipoA	ATG	False	False	59	2.082777	11	42	False	4	9	0.078
CjadiA	ATG	False	False	63	2.103687	10	52	False	5	8	0.061
AgossB	ATG	False	False	19	2.170355	5	15	False	2	3	0.000
NdelpA	ATG	False	False	50	2.079119	6	37	False	4	7	0.125
LelonA	ATG	False	False	62	1.981684	10	56	False	3	3	0.000
LkluyF	ATG	False	False	45	1.917361	6	39	False	1	2	0.000
CalimA	ATG	False	False	61	2.065554	10	42	False	4	10	0.104
LkluyD	ATG	False	False	44	1.915721	6	38	False	1	2	0.000
BcaliA	ATG	False	False	60	2.180670	10	52	False	6	7	0.004
SoctoA	ATG	False	False	38	1.891966	6	24	False	3	6	0.144
CbuenA	ATG	False	False	62	1.991545	10	56	False	3	4	0.000
CdefoA	ATG	False	False	61	2.035994	11	42	False	4	9	0.076
CpseuA	ATG	False	False	18	2.131446	1	16	False	1	1	0.039
LkluyE	ATG	False	False	45	1.917361	6	39	False	1	2	0.000
CchauA	ATG	False	False	64	2.085534	12	56	False	6	6	0.003
LkluyC	ATG	False	False	45	1.917361	6	39	False	1	2	0.000
CvartA	ATG	False	False	63	2.110454	11	51	False	6	9	0.145
LkluyA	ATG	False	False	45	1.917361	6	39	False	1	2	0.000
CdubIA	ATG	False	False	56	1.974364	9	51	False	2	2	0.000
ClusiA	ATG	False	False	62	2.005339	10	56	False	4	4	0.000
MguilA	ATG	False	False	63	2.113761	10	55	False	3	6	0.002
WmucoA	ATG	False	False	58	2.146756	9	51	False	5	6	0.003
ScereC	ATG	False	False	47	2.047648	6	34	False	3	7	0.145

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
ScereA	ATG	False	False	47	2.047648	6	34	False	3	7	0.145
ScereD	ATG	False	False	47	2.047648	6	34	False	3	7	0.145
ScereE	ATG	False	False	47	2.015928	6	35	False	3	6	0.020
DhansA	ATG	False	False	62	1.987596	10	55	False	4	4	0.000
YlipoB	ATG	False	False	59	2.082777	11	42	False	4	9	0.078
BcustA	ATG	False	False	62	1.962428	11	43	False	5	8	0.131
AgossA	ATG	False	False	22	2.239468	5	17	False	3	4	0.000
MingeA	ATG	False	False	55	2.004232	10	39	False	5	9	0.088
ScastA	ATG	False	False	37	2.208528	6	28	False	3	6	0.028
CmaltA	ATG	False	False	58	2.003477	11	53	False	2	3	0.000