

CoReTracker report

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
LmeyeA	CTA	False	False	6	1.390953	3	0	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	194	1.962767	7	185	False	2	4	0.000
SpombA	CTG	False	False	3	2.390093	2	2	False	1	1	0.000
	CTT	False	False	17	2.180034	5	13	False	3	3	0.000
WmucoA	TTA	False	False	157	1.811699	7	108	False	6	19	0.000
	CTA	False	False	20	1.771414	7	16	False	1	1	0.000
	CTT	False	False	13	2.100592	9	11	False	1	1	0.000
CgallA	TTA	False	False	307	1.979036	13	280	False	9	13	0.000
	CTA	False	False	12	1.707194	9	10	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	312	2.032325	13	263	False	10	27	0.000
CgigaA	CTA	False	False	83	2.072656	11	79	False	2	3	0.000
	CTC	False	False	115	1.981448	12	110	False	3	3	0.000
	CTG	False	False	35	2.012583	9	34	False	1	1	0.000
	CTT	False	False	62	1.971151	12	58	False	3	3	0.000
	TTA	False	False	17	2.158232	7	16	False	1	1	0.000
CsantA	CTA	False	False	191	1.866324	13	152	False	6	13	0.000
	CTT	False	False	60	1.766266	11	50	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	65	2.218023	12	51	False	4	8	0.000
CtropB	CTA	False	False	97	1.947833	13	92	False	1	1	0.000
	CTT	False	False	75	2.025000	13	73	False	2	2	0.000
	TTA	False	False	131	2.017030	13	128	False	3	3	0.000
CtropA	CTA	False	False	98	1.934460	13	93	False	1	1	0.000
	CTT	False	False	73	2.033866	13	71	False	2	2	0.000
	TTA	False	False	132	2.020897	13	129	False	3	3	0.000
WpijpA	TTA	False	False	168	1.993638	7	157	False	4	6	0.000
BarxA	TTA	False	False	54	1.851920	1	42	False	1	1	0.093
CoxycA	CTG	False	False	3	2.575758	1	2	False	1	1	0.331
	CTA	False	False	128	1.947090	12	118	False	4	4	0.000
CsubhA	CTC	False	False	104	2.003186	13	94	False	4	7	0.000
	CTG	False	False	102	2.111642	12	92	False	7	8	0.000
	TTG	False	False	10	2.205959	5	7	False	2	2	0.001
CsubhB	CTA	False	False	128	1.947090	12	118	False	4	4	0.000
	CTC	False	False	104	2.003186	13	94	False	4	7	0.000
	CTG	False	False	102	2.111642	12	92	False	7	8	0.000
	TTG	False	False	10	2.205959	5	7	False	2	2	0.001
OanguA	CTA	False	False	16	2.101833	9	15	False	1	1	0.000
	CTT	False	False	23	1.934806	11	17	False	3	3	0.000
	TTA	False	False	306	1.944115	13	264	False	11	22	0.000

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
SarboA	CTA	False	False	11	0.356153	5	2	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	192	1.929828	7	174	False	2	6	0.000
CalaiA	TTA	False	False	304	1.953302	11	286	False	5	6	0.000
KtherA	CTA	False	False	5	1.083172	3	0	False	1	1	0.001
	TTA	False	False	198	1.960672	7	189	False	2	4	0.000
CblacA	TTA	False	False	56	1.942523	1	52	False	1	1	0.094
CnorvA	TTA	False	False	345	1.957839	13	319	False	8	10	0.254
CviswA	TTA	False	False	333	1.949756	13	321	False	4	5	0.000
MstarA	TTA	False	False	333	1.956372	13	285	False	8	17	0.000
NbaciA	CTA	False	False	8	0.042271	4	0	False	2	2	0.249
	TTA	False	False	186	1.922763	7	173	False	2	2	0.329
CalbiD	TTA	False	False	236	1.939005	12	229	False	1	2	0.000
CbohiA	CTA	False	False	4	2.489971	3	3	False	1	1	0.002
	CTT	False	False	13	1.942308	7	11	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	341	1.955778	13	324	False	7	10	0.000
LstarA	CTA	False	False	11	2.121524	5	10	False	1	1	0.000
	CTT	False	False	24	2.175306	9	21	False	1	2	0.000
	TTA	False	False	229	1.896362	10	194	False	6	16	0.000
MfariA	CTG	False	False	1	3.708738	1	0	False	1	1	0.141
	TTA	False	False	312	1.957460	13	293	False	6	10	0.000
MfariB	TTA	False	False	354	2.011921	13	334	False	7	13	0.000
CcastA	CTA	False	False	12	0.224013	5	0	False	2	2	0.045
	TTA	False	False	187	1.938546	7	170	False	2	4	0.070
LanspB	CTA	False	False	7	1.061728	3	0	False	1	1	0.001
	TTA	False	False	193	1.962314	7	184	False	2	4	0.000
CphanaA	CTA	False	False	8	1.828829	7	6	False	1	1	0.001
	TTA	False	False	333	2.030073	13	281	False	11	29	0.000
LanspA	CTA	False	False	7	1.850685	4	1	False	2	2	0.006
	TTA	False	False	202	1.940415	7	188	False	2	4	0.003
CsojaA	CTT	False	False	39	2.059088	8	37	False	2	2	0.000
CglabA	CTA	False	False	4	0.855422	4	1	False	1	1	0.001
	TTA	False	False	192	1.933123	7	178	False	2	4	0.000
ScryoA	CTA	False	False	36	1.991599	6	24	False	3	5	0.000
	CTT	False	False	22	1.779956	6	16	False	2	2	0.000
	TTA	False	False	136	1.863218	7	97	False	6	16	0.000
CneerA	TTG	False	False	9	2.330138	3	8	False	1	1	0.000
	CTT	False	False	33	2.084959	13	31	False	2	2	0.000
	TTA	False	False	286	1.967331	13	273	False	5	8	0.000
CsakeA	TTA	False	False	337	1.966804	12	320	False	6	9	0.000
HuvarA	TTA	False	False	166	1.824165	6	122	False	5	14	0.000
CjiufA	CTA	False	False	29	2.067509	10	26	False	2	2	0.000

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
	TTA	False	False	300	1.980708	13	294	False	3	4	0.000
KlactA	TTA	False	False	193	1.949670	7	178	False	2	5	0.000
CzempA	TTA	False	False	193	1.957660	7	141	False	5	21	0.000
	CTT	False	False	31	2.012969	9	30	False	1	1	0.000
CmetaB	TTA	False	False	324	1.964123	13	319	False	2	2	0.000
	CTT	False	False	31	2.012969	9	30	False	1	1	0.000
CmetaC	TTA	False	False	324	1.964123	13	319	False	2	2	0.000
	CTT	False	False	31	2.012969	9	30	False	1	1	0.000
CmetaA	TTA	False	False	324	1.964123	13	319	False	2	2	0.000
	CTT	False	False	31	2.012969	9	30	False	1	1	0.000
CmetaF	TTA	False	False	324	1.964123	13	319	False	2	2	0.000
	CTT	False	False	31	2.012969	9	30	False	1	1	0.000
CfrijA	TTA	False	False	325	2.011984	13	311	False	4	10	0.000
	CTT	False	False	31	2.012969	9	30	False	1	1	0.000
CmetaD	TTA	False	False	324	1.964123	13	319	False	2	2	0.000
	CTT	False	False	31	2.012969	9	30	False	1	1	0.000
CmetaE	TTA	False	False	324	1.964123	13	319	False	2	2	0.000
	CTT	False	False	31	2.012969	9	30	False	1	1	0.000
PpastA	TTA	False	False	339	1.960275	13	303	False	9	15	0.000
	CTC	False	False	2	2.975248	2	0	False	1	1	0.004
SjapoA	CTT	False	False	40	1.939045	5	26	False	3	4	0.000
	TTA	False	False	153	1.801820	7	99	False	7	20	0.034
CalbiE	TTA	False	False	140	1.931258	7	134	False	1	2	0.000
	CTT	False	False	25	2.149220	10	23	False	2	2	0.000
Ctetra	TTA	False	False	275	1.947780	13	263	False	6	6	0.000
	CTT	False	False	41	2.086046	10	40	False	1	1	0.000
CalbiC	TTA	False	False	262	1.939165	13	254	False	2	3	0.000
	CTT	False	False	41	2.086046	10	40	False	1	1	0.000
CalbiB	TTA	False	False	262	1.939165	13	254	False	2	3	0.000
	CTT	False	False	41	2.086046	10	40	False	1	1	0.000
CalbiA	TTA	False	False	235	1.940963	12	228	False	1	2	0.000
	CTA	False	False	115	2.023789	13	103	False	4	4	0.000
	CTC	False	False	15	2.001826	6	13	False	1	1	0.000
MmagnB	CTG	False	False	62	1.919781	12	52	False	4	4	0.000
	CTT	False	False	113	1.931548	13	97	False	4	7	0.000
	TTA	False	False	28	1.902933	7	21	False	3	3	0.000
	CTA	False	False	115	2.014144	13	102	False	4	4	0.000
	CTC	False	False	14	1.997073	5	12	False	1	1	0.000
MmagnA	CTG	False	False	63	1.924330	13	53	False	4	4	0.000
	CTT	False	False	115	1.930813	13	99	False	4	7	0.000
	TTA	False	False	24	1.920180	7	18	False	3	3	0.000
	CTT	False	False	31	1.984020	11	30	False	1	1	0.000
CparaA	TTA	False	False	269	1.974003	12	265	False	2	3	0.000
CcoryA	CTA	False	False	35	1.904318	10	32	False	1	1	0.000

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
CparaC	CTT	False	False	81	1.983841	11	76	False	4	4	0.000
	TTA	False	False	251	1.969752	13	232	False	7	11	0.000
	CTT	False	False	34	1.991100	12	33	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	323	1.966542	13	317	False	2	3	0.000
CparaB	CTT	False	False	34	1.991100	12	33	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	323	1.966542	13	317	False	2	3	0.000
CparaE	CTT	False	False	34	1.991100	12	33	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	323	1.966542	13	317	False	2	3	0.000
CparaD	CTT	False	False	34	1.991100	12	33	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	323	1.966542	13	317	False	2	3	0.000
CparaF	CTT	False	False	34	1.991100	12	33	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	323	1.966542	13	317	False	2	3	0.000
MtetraA	CTA	False	False	69	1.921545	12	60	False	2	3	0.000
	CTC	False	False	56	1.821008	13	50	False	1	1	0.000
	CTG	False	False	124	1.986951	12	104	False	8	9	0.000
CsaraA	CTT	False	False	75	1.933324	13	61	False	4	7	0.000
	CTT	False	False	26	2.094626	9	25	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	288	1.960633	13	277	False	4	5	0.000
CsuavA	TTA	False	False	305	1.975751	13	283	False	7	8	0.000
PkluyA	CTA	False	False	7	2.342222	5	6	False	1	1	0.001
	TTA	False	False	324	1.932245	13	282	False	8	20	0.000
PcanaA	CTT	False	False	3	2.639344	3	2	False	1	1	0.014
	TTA	False	False	322	1.969271	13	300	False	8	9	0.000
YlipoB	TTA	False	False	317	2.025799	13	266	False	11	28	0.000
BcustA	CTT	False	False	6	1.945841	6	4	False	1	1	0.001
	TTA	False	False	318	1.906902	13	274	False	8	17	0.000
CjadiA	TTA	False	False	322	1.972713	13	300	False	7	8	0.000
AgossB	TTA	False	False	190	1.974527	7	171	False	4	8	0.000
NdelpA	CTA	False	False	7	0.717842	5	1	False	1	1	0.000
	CTT	False	False	2	1.541463	2	0	False	1	1	0.020
	TTA	False	False	187	1.945299	7	171	False	2	5	0.004
LelonA	CTA	False	False	60	1.976483	12	58	False	2	2	0.000
	CTT	False	False	49	2.054948	12	47	False	2	2	0.000
	TTA	False	False	235	1.956993	13	230	False	2	2	0.000
CalimA	CTA	False	False	10	2.163557	8	9	False	1	1	0.000
	CTT	False	False	8	1.972565	5	6	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	324	2.001864	13	275	False	10	25	0.000
LkluyD	TTG	False	False	4	2.436047	4	3	False	1	1	0.002
	CTA	False	False	6	0.557325	4	0	False	1	1	0.000
	CTT	False	False	2	2.722772	2	0	False	1	1	0.014
	TTA	False	False	197	1.953342	7	186	False	2	5	0.004

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
BcaliA	TTA	False	False	346	1.958484	13	319	False	7	10	0.000
	CTA	False	False	14	2.464733	3	12	False	2	2	0.000
SoctoA	CTT	False	False	27	1.923816	6	19	False	2	3	0.000
	TTA	False	False	159	1.852177	7	112	False	6	19	0.000
CbuenA	CTT	False	False	57	1.937753	12	55	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	293	2.009600	13	274	False	8	12	0.000
	CTA	False	False	12	2.036959	8	11	False	1	1	0.000
CdefoA	CTT	False	False	10	1.978409	6	8	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	318	2.011331	13	268	False	10	26	0.000
LdasiA	CTA	False	False	6	1.390953	3	0	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	197	1.964280	7	188	False	2	4	0.000
	CTA	False	False	5	0.095238	4	0	False	1	1	0.044
LkluyF	CTT	False	False	2	2.722772	2	0	False	1	1	0.129
	TTA	False	False	200	1.954430	7	189	False	2	5	0.070
	CTA	False	False	5	0.095238	4	0	False	1	1	0.002
LkluyE	CTT	False	False	2	2.722772	2	0	False	1	1	0.014
	TTA	False	False	199	1.953995	7	188	False	2	5	0.004
	CTA	False	False	36	1.951889	12	32	False	2	2	0.000
CchauA	CTC	False	False	7	2.268328	4	6	False	1	1	0.001
	CTT	False	False	37	2.014839	10	34	False	1	2	0.000
	TTA	False	False	288	1.969731	13	269	False	7	12	0.000
	CTA	False	False	5	0.095238	4	0	False	1	1	0.044
LkluyC	CTT	False	False	2	2.722772	2	0	False	1	1	0.129
	TTA	False	False	200	1.954430	7	189	False	2	5	0.070
CvartA	TTA	False	False	307	1.982572	13	285	False	7	9	0.000
	CTA	False	False	5	0.095238	4	0	False	1	1	0.044
LkluyA	CTT	False	False	2	2.722772	2	0	False	1	1	0.129
	TTA	False	False	200	1.954430	7	189	False	2	5	0.070
CdubIA	TTA	False	False	250	1.956999	12	244	False	1	2	0.000
CorthB	CTT	False	False	33	2.052820	10	32	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	325	1.955644	13	319	False	2	3	0.000
CorthC	CTT	False	False	33	2.052820	10	32	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	326	1.956776	13	320	False	2	3	0.000
CorthA	CTT	False	False	33	2.052820	10	32	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	325	1.959672	13	319	False	2	3	0.000
ClusiA	TTA	False	False	352	1.977104	13	334	False	7	12	0.000
MguilA	TTA	False	False	307	1.970098	13	292	False	3	8	0.000
SpastA	CTA	False	False	7	0.945908	5	2	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	195	1.920858	7	175	False	2	6	0.000
ScereC	CTA	False	False	11	0.356153	5	2	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	194	1.924721	7	176	False	2	5	0.000

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
ScereA	CTA	False	False	11	0.356153	5	2	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	193	1.933632	7	176	False	2	5	0.000
ScereD	CTA	False	False	10	0.477011	5	2	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	194	1.924721	7	176	False	2	5	0.000
ScereE	CTA	False	False	11	0.629046	6	2	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	195	1.925390	7	177	False	2	5	0.000
DhansA	TTA	False	False	343	1.994057	13	326	False	5	10	0.000
CsalmA	TTA	False	False	294	1.820754	12	228	False	10	24	0.000
LnothA	CTA	False	False	7	1.061728	3	0	False	1	1	0.001
	TTA	False	False	195	1.969000	7	186	False	2	4	0.000
YlipoA	TTA	False	False	317	2.025799	13	266	False	11	28	0.000
CtheaA	CTT	False	False	26	2.045436	10	25	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	332	1.957929	13	326	False	2	3	0.000
AgossA	TTA	False	False	190	1.974527	7	171	False	4	8	0.000
MingeA	TTA	False	False	335	1.934450	13	283	False	8	18	0.000
ScastA	TTA	False	False	193	1.964928	7	169	False	5	9	0.000
CmaltA	CTA	False	False	87	1.890679	13	80	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	223	2.015193	13	212	False	5	7	0.000