

CoReTracker report

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
MingeA	ATG	False	False	55	1.003270	10	39	False	1	1	0.000
CgallA	ATG	False	False	61	1.190054	11	42	False	1	1	0.000
CdefoA	ATG	False	False	61	1.190054	11	42	False	1	1	0.000
SjapoA	ATG	False	False	35	0.837544	5	18	False	3	3	0.265
NbaciA	ATG	False	False	53	0.875771	6	34	False	1	1	0.000
AacerA	ATG	False	False	31	1.147570	2	18	False	1	1	0.154
MmagnB	ATG	False	False	57	1.042620	11	39	False	1	1	0.000
MmagnA	ATG	False	False	57	1.042620	11	39	False	1	1	0.000
MguilA	ATG	False	False	63	1.087573	10	55	False	1	1	0.055
MtetrA	ATG	False	False	58	1.048983	10	38	False	2	2	0.000
PkluyA	ATG	False	False	60	1.096450	11	45	False	1	1	0.000
CalaiA	ATG	False	False	59	1.121597	9	50	False	1	1	0.000
CphanaA	ATG	False	False	60	1.157401	10	42	False	1	1	0.000
YlipoB	ATG	False	False	59	1.176195	11	42	False	1	1	0.000
YlipoA	ATG	False	False	59	1.176195	11	42	False	1	1	0.000
SoctoA	ATG	False	False	38	1.087824	6	24	False	1	1	0.000
CsubhA	ATG	False	False	68	1.157323	11	53	False	1	2	0.000
BcustA	ATG	False	False	62	1.223691	11	43	False	3	3	0.005
CglabA	ATG	False	False	50	1.135684	6	37	False	1	1	0.000
CsubhB	ATG	False	False	68	1.157323	11	53	False	1	2	0.000
NdelpA	ATG	False	False	50	1.092529	6	37	False	1	1	0.000
ScryoA	ATG	False	False	40	1.008782	6	24	False	1	1	0.000
HuvarA	ATG	False	False	54	0.733604	6	27	False	1	1	0.000
CalimA	ATG	False	False	61	1.160842	10	42	False	1	1	0.000
CzempA	ATG	False	False	37	1.084986	7	19	False	1	1	0.000
SpombA	ATG	False	False	40	1.259488	6	23	False	2	3	0.205