

CoReTracker report

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
PpastA	TTA	False	False	339	-3.819924	13	303	False	1	1	0.000
SjapoA	TTA	False	False	153	-3.537602	7	99	False	1	1	0.000
CchauA	CTA	False	False	36	-3.604191	12	32	False	1	1	0.000
NbaciA	TTA	False	False	186	-3.801126	7	173	False	1	1	0.000
SpombA	TTA	False	False	157	-3.582439	7	108	False	1	2	0.000
AacerA	CTA	False	False	16	0.231124	2	0	False	1	2	0.311
MtetrA	CTA	False	False	69	-3.723626	12	60	False	1	1	0.056
CcoryA	TTA	False	False	251	-3.816332	13	232	False	1	1	0.000
CbohiA	TTA	False	False	341	-3.844066	13	324	False	1	1	0.000
LstarA	TTA	False	False	229	-3.766111	10	194	False	1	1	0.000
SpastA	TTA	False	False	195	-3.782311	7	175	False	1	1	0.000
CsantA	CTA	False	False	191	-3.693455	13	152	False	1	1	0.000
ScereC	TTA	False	False	194	-3.795479	7	176	False	1	1	0.000
ScereA	TTA	False	False	193	-3.799553	7	176	False	1	1	0.000
ScereD	TTA	False	False	194	-3.795479	7	176	False	1	1	0.000
ScereE	TTA	False	False	195	-3.796496	7	177	False	1	1	0.000
MfariA	TTA	False	False	312	-3.826309	13	293	False	1	1	0.000
PkluyA	TTA	False	False	324	-3.793238	13	282	False	1	1	0.000
CcastA	TTA	False	False	187	-3.810401	7	170	False	1	1	0.000
BarxA	TTA	False	False	54	-3.625168	1	42	False	1	1	0.091
CsalmA	TTA	False	False	294	-3.630800	12	228	False	3	3	0.000
BcustA	TTA	False	False	318	-3.774144	13	274	False	1	1	0.000
AgossA	CTA	False	False	24	-0.172441	5	2	False	2	3	0.227
AgossB	CTA	False	False	24	-0.172441	5	2	False	2	3	0.227
CglabA	TTA	False	False	192	-3.806277	7	178	False	1	1	0.000
OanguA	TTA	False	False	306	-3.757476	13	264	False	2	2	0.000
NdelpA	TTA	False	False	187	-3.804456	7	171	False	1	1	0.000
ScryoA	TTA	False	False	136	-3.639617	7	97	False	1	2	0.000
SarboA	TTA	False	False	192	-3.797081	7	174	False	1	1	0.000
KlactA	TTA	False	False	193	-3.814776	7	178	False	1	1	0.000
SoctoA	TTA	False	False	159	-3.634228	7	112	False	1	2	0.000