

CoReTracker report

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
CmetaB	TTA	False	False	324	-0.881662	13	319	False	1	1	0.000
CnorvA	TTA	False	False	345	-0.842258	13	319	False	2	2	0.000
CmetaA	TTA	False	False	324	-0.881662	13	319	False	1	1	0.000
CmetaF	TTA	False	False	324	-0.881662	13	319	False	1	1	0.000
CfrijA	TTA	False	False	325	-0.880335	13	311	False	1	1	0.000
CgallA	CTT	False	False	10	-0.134091	6	9	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	312	-0.787084	13	263	False	5	5	0.000
CmetaC	TTA	False	False	324	-0.881662	13	319	False	1	1	0.000
CviswA	TTA	False	False	333	-0.886960	13	321	False	1	1	0.000
CdefoA	CTT	False	False	10	-0.169318	6	8	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	318	-0.797853	13	268	False	5	5	0.000
PpastA	TTA	False	False	339	-0.865746	13	303	False	1	1	0.000
MstarA	TTA	False	False	333	-0.838727	13	285	False	1	1	0.051
MguilA	TTA	False	False	307	-0.854130	13	292	False	2	2	0.000
CpseuA	TTA	False	False	41	-0.839175	1	40	False	1	1	0.097
SjapoA	CTT	False	False	40	-0.821454	5	26	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	153	-0.777841	7	99	False	2	2	0.000
CchauA	TTA	False	False	288	-0.846441	13	269	False	1	1	0.000
SpombA	TTA	False	False	157	-0.654914	7	108	False	2	2	0.000
CvartA	TTA	False	False	307	-0.861838	13	285	False	2	2	0.000
CdublA	TTA	False	False	250	-0.867203	12	244	False	1	1	0.000
CorthB	TTA	False	False	325	-0.881340	13	319	False	1	1	0.000
CorthC	TTA	False	False	326	-0.881628	13	320	False	1	1	0.000
CalbiE	TTA	False	False	140	-0.840474	7	134	False	1	1	0.000
CtetrA	TTA	False	False	275	-0.841889	13	263	False	1	2	0.000
CalbiC	TTA	False	False	262	-0.856799	13	254	False	1	1	0.000
CalbiB	TTA	False	False	262	-0.856799	13	254	False	1	1	0.000
CalbiA	TTA	False	False	235	-0.851241	12	228	False	1	1	0.000
CoxycA	TTA	False	False	41	-0.612774	1	37	False	1	2	0.052
CalbiD	TTA	False	False	236	-0.851080	12	229	False	1	1	0.000
CmetaD	TTA	False	False	324	-0.881662	13	319	False	1	1	0.000
CcoryA	CTT	False	False	81	-0.872701	11	76	False	1	1	0.000
CbohiA	TTA	False	False	341	-0.869220	13	324	False	2	2	0.000
LstarA	TTA	False	False	229	-0.789423	10	194	False	1	2	0.000
CparaE	TTA	False	False	323	-0.878970	13	317	False	1	1	0.000
CparaD	TTA	False	False	323	-0.878970	13	317	False	1	1	0.000
WmucoA	CTA	False	False	20	-0.587151	7	16	False	1	1	0.061
	TTA	False	False	307	-0.842592	13	280	False	2	2	0.055

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
CparaF	TTA	False	False	323	-0.878970	13	317	False	1	1	0.000
CsantA	CTA	False	False	191	-0.789066	13	152	False	3	3	0.000
MtetrA	CTC	False	False	56	-0.645348	13	50	False	1	1	0.056
	CTG	False	False	124	-0.799409	12	104	False	1	1	0.051
CsaraA	TTA	False	False	288	-0.873490	13	277	False	1	1	0.000
CtropB	CTA	False	False	97	-0.809192	13	92	False	1	1	0.000
CsuavA	TTA	False	False	305	-0.837665	13	283	False	2	2	0.000
CtropA	CTA	False	False	98	-0.806177	13	93	False	1	1	0.000
MfariA	TTA	False	False	312	-0.897256	13	293	False	1	1	0.000
PkluyA	TTA	False	False	324	-0.818201	13	282	False	3	3	0.000
LelonA	TTA	False	False	235	-0.865699	13	230	False	1	1	0.000
BcustA	TTA	False	False	318	-0.808586	13	274	False	2	2	0.000
CcastA	TTA	False	False	187	-0.808451	7	170	False	1	1	0.000
PcanaA	TTA	False	False	322	-0.844971	13	300	False	3	3	0.000
DhansA	TTA	False	False	343	-0.873882	13	326	False	1	1	0.000
CmetaE	TTA	False	False	324	-0.881662	13	319	False	1	1	0.000
BcaliA	TTA	False	False	346	-0.849729	13	319	False	2	2	0.000
CphanaA	CTA	False	False	8	0.040541	7	6	False	1	1	0.001
	TTA	False	False	333	-0.807198	13	281	False	5	5	0.000
CsojaA	TTA	False	False	192	-0.856355	8	189	False	1	1	0.000
	CTT	False	False	11	-0.226115	6	10	False	1	1	0.000
YlipoB	TTA	False	False	317	-0.812931	13	266	False	4	4	0.000
	TTG	False	False	3	1.377358	2	2	False	1	1	0.014
	CTT	False	False	11	-0.226115	6	10	False	1	1	0.000
YlipoA	TTA	False	False	317	-0.812931	13	266	False	4	4	0.000
	TTG	False	False	3	1.377358	2	2	False	1	1	0.014
CsalmaA	TTA	False	False	294	-0.786065	12	228	False	2	3	0.000
CjadiA	TTA	False	False	322	-0.855382	13	300	False	2	2	0.000
AgossB	TTA	False	False	190	-0.823461	7	171	False	1	1	0.000
CorthA	TTA	False	False	325	-0.880079	13	319	False	1	1	0.000
CglabA	TTA	False	False	192	-0.877659	7	178	False	1	1	0.000
CtheaA	TTA	False	False	332	-0.883533	13	326	False	1	1	0.000
OanguA	CTT	False	False	23	-0.367457	11	17	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	306	-0.859575	13	264	False	1	1	0.000
NdelpA	TTA	False	False	187	-0.877734	7	171	False	1	1	0.000
ScryoA	TTA	False	False	136	-0.730120	7	97	False	2	2	0.000
CneerA	TTA	False	False	286	-0.880071	13	273	False	1	1	0.000
AgossA	TTA	False	False	190	-0.823461	7	171	False	1	1	0.000
CparaB	TTA	False	False	323	-0.878970	13	317	False	1	1	0.000
HuvarA	TTA	False	False	166	-0.790420	6	122	False	2	2	0.000
CjiufA	TTA	False	False	300	-0.883054	13	294	False	1	1	0.000

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
ScastA	TTA	False	False	193	-0.809737	7	169	False	1	1	0.000
CalimA	CTT	False	False	8	0.008230	5	6	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	324	-0.799468	13	275	False	5	5	0.000
KlactA	TTA	False	False	193	-0.863914	7	178	False	1	1	0.000
CblacA	TTA	False	False	56	-0.807436	1	52	False	1	1	0.097
CzempA	TTA	False	False	193	-0.774367	7	141	False	1	1	0.000
CmaltA	CTA	False	False	87	-0.790869	13	80	False	1	1	0.000
SoctoA	TTA	False	False	159	-0.672319	7	112	False	2	2	0.000
CparaC	TTA	False	False	323	-0.878970	13	317	False	1	1	0.000
MingeA	TTA	False	False	335	-0.847338	13	283	False	1	1	0.051