

# CoReTracker report

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
CjadiA	TTA	False	False	322	1.069365	13	300	False	3	4	0.051
CnorvA	TTA	False	False	345	1.061778	13	319	False	4	4	0.000
LmeyeA	CTA	True	True	6	1.885299	3	0	False	2	3	0.927
BcustA	TTA	False	False	318	1.038060	13	274	False	1	3	0.000
CfrijA	TTA	False	False	325	1.087731	13	311	False	1	1	0.000
CgallA	TTA	False	False	312	1.148194	13	263	False	3	4	0.000
CbuenA	TTA	False	False	293	1.089542	13	274	False	1	1	0.000
CviswA	TTA	False	False	333	1.026073	13	321	False	1	1	0.051
CdefoA	TTA	False	False	318	1.130731	13	268	False	3	4	0.000
PpastA	TTA	False	False	339	1.077148	13	303	False	3	4	0.000
LdasiA	CTA	True	True	6	1.885299	3	0	False	2	3	0.927
ScastA	CTA	False	False	5	0.404537	3	0	False	1	1	0.001
	TTA	False	False	193	1.091456	7	169	False	3	4	0.001
LkluyF	CTT	False	False	2	2.732673	2	0	False	1	1	0.012
	TTA	False	False	200	1.051861	7	189	False	1	1	0.005
LkluyE	CTT	False	False	2	2.732673	2	0	False	1	1	0.005
	TTA	False	False	199	1.051750	7	188	False	1	1	0.000
	CTA	False	False	6	1.098726	4	0	False	1	1	0.380
LkluyD	CTT	False	False	2	2.732673	2	0	False	1	1	0.381
	TTA	False	False	197	1.052070	7	186	False	1	1	0.259
LkluyC	CTT	False	False	2	2.732673	2	0	False	1	1	0.012
	TTA	False	False	200	1.051861	7	189	False	1	1	0.005
WmucoA	TTA	False	False	307	1.087324	13	280	False	4	4	0.000
	CTT	False	False	2	2.732673	2	0	False	1	1	0.012
LkluyA	TTA	False	False	200	1.051861	7	189	False	1	1	0.005
	CTA	False	False	21	1.031996	5	16	False	2	2	0.000
SpombA	TTA	False	False	157	1.065731	7	108	False	4	6	0.000
NbaciA	TTA	False	False	186	1.047860	7	173	False	3	4	0.000
AacerA	CTA	False	False	16	-0.315274	2	0	False	1	1	0.291
	CTT	False	False	5	0.041431	2	0	False	1	1	0.361
	CTA	False	False	115	1.131872	13	103	False	2	3	0.000
MmagnB	CTT	False	False	113	1.053554	13	97	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	28	1.197975	7	21	False	1	1	0.000
	CTA	False	False	11	0.733102	5	2	False	1	1	0.000
ScereC	CTT	False	False	1	3.611650	1	0	False	1	1	0.084
	TTA	False	False	194	1.041399	7	176	False	3	4	0.004
CgigaA	CTA	False	False	83	1.153574	11	79	False	1	1	0.000
MmagnA	CTA	False	False	115	1.130386	13	102	False	2	3	0.000

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
	CTT	False	False	115	1.053014	13	99	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	24	1.216946	7	18	False	1	1	0.000
CcoryA	TTA	False	False	251	1.072759	13	232	False	1	1	0.051
KmarxA	TTA	False	False	55	1.078717	1	52	False	1	1	0.097
LstarA	CTT	False	False	24	1.277097	9	21	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	229	1.025059	10	194	False	1	1	0.000
SpastA	CTA	False	False	7	1.080444	5	2	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	195	1.045969	7	175	False	3	4	0.000
CalimA	TTA	False	False	324	1.119808	13	275	False	3	4	0.000
CsantA	CTA	False	False	191	1.075450	13	152	False	3	3	0.000
	CTT	False	False	60	0.930738	11	50	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	65	1.396717	12	51	False	3	3	0.000
MtetrA	CTA	False	False	69	1.060030	12	60	False	1	2	0.000
	CTG	False	False	124	1.109725	12	104	False	1	1	0.000
	CTT	False	False	75	1.100622	13	61	False	1	1	0.000
ScereA	CTA	False	False	11	0.733102	5	2	False	1	1	0.000
	CTT	False	False	1	3.611650	1	0	False	1	1	0.084
	TTA	False	False	193	1.050460	7	176	False	3	4	0.004
CtropB	CTG	False	False	26	1.064718	9	25	False	1	1	0.000
CsuavA	TTA	False	False	305	1.074742	13	283	False	4	5	0.000
ScereD	CTA	False	False	10	0.804598	5	2	False	1	1	0.089
	CTG	False	False	2	1.387560	2	0	False	1	1	0.133
	CTT	False	False	2	1.165049	1	0	False	1	1	0.176
ScereE	TTA	False	False	194	1.041399	7	176	False	3	4	0.072
	CTA	False	False	11	0.983377	6	2	False	2	2	0.394
	CTT	False	False	2	1.165049	1	0	False	1	1	0.427
MfariA	TTA	False	False	195	1.041488	7	177	False	3	4	0.249
	TTA	False	False	312	1.056529	13	293	False	2	2	0.051
PkluyA	TTA	False	False	324	1.050027	13	282	False	2	2	0.000
MfariB	TTA	False	False	354	1.105449	13	334	False	2	2	0.000
Calaia	CTT	False	False	6	1.547826	4	5	False	1	1	0.001
	TTA	False	False	304	1.053035	11	286	False	4	4	0.000
PcanaA	TTA	False	False	322	1.064017	13	300	False	3	3	0.000
DhansA	CTT	False	False	11	1.356394	6	10	False	1	1	0.061
BcaliA	TTA	False	False	346	1.064112	13	319	False	4	4	0.000
BarxA	TTA	False	False	54	1.085748	1	42	False	1	2	0.040
LanspB	CTA	True	True	7	1.609053	3	0	False	2	3	0.927
CphanA	TTA	False	False	333	1.145989	13	281	False	3	4	0.000
LanspA	CTA	False	False	7	1.978082	4	1	False	2	2	0.005
	TTA	False	False	202	1.053113	7	188	False	2	2	0.005
MstarA	TTA	False	False	333	1.099325	13	285	False	4	7	0.000

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
CsojaA	TTA	False	False	192	1.030959	8	189	False	1	1	0.000
CtropA	CTG	False	False	28	1.061562	9	27	False	1	1	0.000
YlipoB	TTA	False	False	317	1.143102	13	266	False	3	4	0.000
YlipoA	TTA	False	False	317	1.143102	13	266	False	3	4	0.000
CsalmA	TTA	False	False	294	1.024390	12	228	False	4	6	0.000
	CTA	False	False	24	-0.229528	5	2	False	2	2	0.249
AgossA	CTT	False	False	15	0.124442	4	0	False	2	2	0.283
	TTA	False	False	190	1.089963	7	171	False	1	2	0.291
	CTA	False	False	24	-0.229528	5	2	False	2	2	0.249
AgossB	CTT	False	False	15	0.124442	4	0	False	2	2	0.283
	TTA	False	False	190	1.089963	7	171	False	1	2	0.291
CsubhA	CTA	False	False	128	1.026623	12	118	False	1	1	0.000
	CTG	False	False	102	1.231538	12	92	False	2	2	0.000
LkluyB	TTA	False	False	56	1.078610	1	53	False	1	1	0.097
CglabA	TTA	False	False	192	1.053111	7	178	False	3	3	0.000
	CTA	False	False	128	1.026623	12	118	False	1	1	0.000
CsubhB	CTG	False	False	102	1.231538	12	92	False	2	2	0.000
	CTG	False	False	102	1.231538	12	92	False	2	2	0.000
CsaraA	TTA	False	False	288	1.040208	13	277	False	1	1	0.051
OanguA	TTA	False	False	306	1.077296	13	264	False	2	2	0.000
	CTA	False	False	7	1.152144	5	1	False	1	1	0.000
NdelpA	TTA	False	False	187	1.067205	7	171	False	3	3	0.000
	TTA	False	False	136	1.110064	7	97	False	4	7	0.000
ScryoA	TTA	False	False	286	1.049775	13	273	False	1	1	0.000
	TTG	False	False	6	1.432271	3	5	False	1	1	0.001
LnothA	CTA	True	True	7	1.609053	3	0	False	2	3	0.927
CsakeA	TTA	False	False	337	1.062164	12	320	False	1	1	0.000
	CTA	False	False	11	0.733102	5	2	False	1	1	0.257
SarboA	CTG	False	False	1	2.868687	1	0	False	1	1	0.492
	CTT	False	False	2	1.165049	1	0	False	1	1	0.403
	TTA	False	False	192	1.041883	7	174	False	2	3	0.221
HuvarA	CTA	False	False	23	0.046745	6	1	False	1	3	0.241
	CTT	False	False	10	0.931883	2	2	False	2	3	0.480
	TTA	False	False	166	1.094880	6	122	False	4	9	0.321
SjapoA	CTA	False	False	15	1.266875	5	11	False	1	2	0.000
	CTC	False	False	2	3.183168	2	0	False	1	1	0.004
	CTT	False	False	40	1.325414	5	26	False	3	4	0.000
CcastA	TTA	False	False	153	1.139360	7	99	False	6	8	0.000
	CTA	False	False	12	0.751813	5	0	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	187	1.055909	7	170	False	4	4	0.001
KtherA	CTA	True	True	5	1.497099	3	0	False	2	2	0.508
KlactA	TTA	False	False	193	1.070005	7	178	False	2	3	0.000

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
CchauA	CTA	False	False	36	1.125738	12	32	False	1	1	0.060
CblacA	TTG	False	False	1	3.718182	1	0	False	1	1	0.456
CzempA	TTA	False	False	193	1.177273	7	141	False	3	5	0.000
	CTA	False	False	87	1.003297	13	80	False	1	1	0.060
CmaltA	CTG	False	False	15	1.243110	8	14	False	1	1	0.061
	TTA	False	False	223	1.101685	13	212	False	1	1	0.055
	CTT	False	False	27	1.110004	6	19	False	1	1	0.000
SoctoA	TTA	False	False	159	1.083813	7	112	False	4	6	0.000
WpijpA	TTA	False	False	168	1.097782	7	157	False	2	2	0.000
MingeA	TTA	False	False	335	1.093581	13	283	False	5	8	0.000
CvartA	TTA	False	False	307	1.080272	13	285	False	4	4	0.000