

# CoReTracker report

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
CmetaB	TTA	False	False	324	-2.919088	13	319	False	1	1	0.000
CmetaC	TTA	False	False	324	-2.919088	13	319	False	1	1	0.000
CmetaA	TTA	False	False	324	-2.919088	13	319	False	1	1	0.000
CmetaF	TTA	False	False	324	-2.919088	13	319	False	1	1	0.000
CfrijA	TTA	False	False	325	-2.931738	13	311	False	1	1	0.000
CmetaD	TTA	False	False	324	-2.919088	13	319	False	1	1	0.000
CmetaE	TTA	False	False	324	-2.919088	13	319	False	1	1	0.000
CbuenA	CTT	False	False	57	-2.819321	12	55	False	1	1	0.000
CviswA	TTA	False	False	333	-2.894071	13	321	False	2	2	0.000
PpastA	TTA	False	False	339	-2.882122	13	303	False	1	1	0.000
MguilA	TTA	False	False	307	-2.909237	13	292	False	1	1	0.000
CchauA	TTA	False	False	288	-2.901966	13	269	False	1	1	0.000
CalbiB	CTA	False	False	48	-2.845028	11	47	False	1	1	0.000
CdubIA	CTT	False	False	49	-2.834451	10	47	False	1	1	0.000
CorthB	TTA	False	False	325	-2.917996	13	319	False	1	1	0.000
CorthC	TTA	False	False	326	-2.918195	13	320	False	1	1	0.000
CtetrA	TTA	False	False	275	-2.921428	13	263	False	1	1	0.000
CalbiC	CTA	False	False	48	-2.845028	11	47	False	1	1	0.000
ClusiA	TTA	False	False	352	-2.918036	13	334	False	1	1	0.000
CalbiA	CTA	False	False	45	-2.839660	10	44	False	1	1	0.000
CorthA	TTA	False	False	325	-2.918077	13	319	False	1	1	0.000
CgigaA	CTT	False	False	62	-2.835290	12	58	False	1	1	0.000
CparaA	TTA	False	False	269	-2.924795	12	265	False	1	1	0.000
CcoryA	TTA	False	False	251	-2.874012	13	232	False	1	1	0.000
CbohiA	TTA	False	False	341	-2.902346	13	324	False	1	1	0.000
LstarA	TTA	False	False	229	-2.867758	10	194	False	1	1	0.051
CparaE	TTA	False	False	323	-2.920109	13	317	False	1	1	0.000
CparaD	TTA	False	False	323	-2.920109	13	317	False	1	1	0.000
CparaF	TTA	False	False	323	-2.920109	13	317	False	1	1	0.000
CsaraA	TTA	False	False	288	-2.919278	13	277	False	1	1	0.000
CtropB	CTA	False	False	97	-2.891963	13	92	False	1	1	0.000
CtropA	CTA	False	False	98	-2.887430	13	93	False	1	1	0.000
MfariA	TTA	False	False	312	-2.892830	13	293	False	1	1	0.000
PkluyA	TTA	False	False	324	-2.818372	13	282	False	3	3	0.000
MfariB	TTA	False	False	354	-2.913400	13	334	False	1	1	0.000
CalaiA	TTA	False	False	304	-2.900267	11	286	False	1	1	0.000
DhansA	CTA	False	False	4	-1.557143	4	3	False	1	1	0.005
CsalmA	TTA	False	False	294	-2.790155	12	228	False	1	2	0.000

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
<b>BcustA</b>	<b>TTA</b>	False	False	318	-2.823476	13	274	False	2	2	0.000
<b>CsubhA</b>	<b>CTA</b>	False	False	128	-2.902914	12	118	False	1	1	0.000
	<b>CTT</b>	False	False	7	-2.062167	5	6	False	1	1	0.001
<b>CsubhB</b>	<b>CTA</b>	False	False	128	-2.902914	12	118	False	1	1	0.000
	<b>CTT</b>	False	False	7	-2.062167	5	6	False	1	1	0.001
<b>CalbiD</b>	<b>CTA</b>	False	False	41	-2.829810	8	40	False	1	1	0.000
<b>CtheaA</b>	<b>TTA</b>	False	False	332	-2.919475	13	326	False	1	1	0.000
<b>OanguA</b>	<b>TTA</b>	False	False	306	-2.821141	13	264	False	2	2	0.000
<b>LelonA</b>	<b>TTA</b>	False	False	235	-2.915128	13	230	False	1	1	0.000
<b>CneerA</b>	<b>TTA</b>	False	False	286	-2.908695	13	273	False	1	1	0.000
<b>CsakeA</b>	<b>TTA</b>	False	False	337	-2.901724	12	320	False	1	1	0.000
<b>CparaB</b>	<b>TTA</b>	False	False	323	-2.920109	13	317	False	1	1	0.000
<b>CjiufA</b>	<b>CTA</b>	False	False	29	-2.780144	10	26	False	1	1	0.000
<b>CzempA</b>	<b>TTA</b>	False	False	193	-2.812478	7	141	False	1	1	0.000
<b>CmaltA</b>	<b>CTA</b>	False	False	87	-2.866202	13	80	False	1	1	0.000
<b>CparaC</b>	<b>TTA</b>	False	False	323	-2.920109	13	317	False	1	1	0.000