

# CoReTracker report

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
MingeA	TTA	False	False	335	-0.980295	13	283	False	2	2	0.000
CgallA	TTA	False	False	312	-1.010323	13	263	False	1	1	0.000
CdefoA	TTA	False	False	318	-1.015423	13	268	False	1	1	0.000
MstarA	TTA	False	False	333	-0.972185	13	285	False	2	2	0.000
SjapoA	TTA	False	False	153	-1.010295	7	99	False	1	1	0.000
SpombA	CTA	False	False	21	-0.630014	5	16	False	1	1	0.000
	TTA	False	False	157	-1.052486	7	108	False	1	1	0.000
ClusiA	TTA	False	False	352	-1.010817	13	334	False	1	1	0.000
MmagnB	CTT	False	False	113	-0.889192	13	97	False	2	2	0.000
MmagnA	CTT	False	False	115	-0.892249	13	99	False	2	2	0.000
LstarA	TTA	False	False	229	-1.014958	10	194	False	1	1	0.000
CsantA	CTA	False	False	191	-0.972892	13	152	False	1	1	0.000
MtetrA	CTC	False	False	56	-0.884077	13	50	False	1	1	0.000
	CTT	False	False	75	-0.946984	13	61	False	1	1	0.000
BarxA	TTA	False	False	54	-0.929582	1	42	False	1	1	0.091
CphanA	TTA	False	False	333	-1.014836	13	281	False	1	1	0.000
YlipoB	TTA	False	False	317	-1.014352	13	266	False	1	1	0.000
YlipoA	TTA	False	False	317	-1.014352	13	266	False	1	1	0.000
CsalmA	TTA	False	False	294	-1.068895	12	228	False	1	1	0.000
CsubhA	CTC	False	False	104	-0.974179	13	94	False	1	1	0.052
CsubhB	CTC	False	False	104	-0.974179	13	94	False	1	1	0.052
ScryoA	TTA	False	False	136	-0.936782	7	97	False	2	2	0.000
HuvarA	TTA	False	False	166	-1.013059	6	122	False	1	1	0.000
CalimA	TTA	False	False	324	-1.016228	13	275	False	1	1	0.000
SoctoA	TTA	False	False	159	-1.017804	7	112	False	1	1	0.000
	TTG	False	False	1	7.705882	1	0	False	1	1	0.039