

CoReTracker report

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
LmeyeA	GCA	False	False	37	1.005131	6	30	False	2	3	0.000
	GCT	False	False	61	1.063008	6	51	False	3	5	0.000
SpombA	GCA	False	False	22	0.422645	6	10	False	2	2	0.000
	GCG	False	False	4	0.387952	4	0	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	68	0.880993	6	40	False	4	8	0.000
SpastA	GCA	False	False	45	1.162688	5	36	False	3	5	0.000
	GCT	False	False	47	1.007943	6	35	False	2	5	0.000
AacerA	GCA	False	False	8	1.324914	2	7	False	1	1	0.012
	GCT	False	False	16	0.953596	2	10	False	1	3	0.020
CmetaD	GCA	False	False	24	1.070000	7	21	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	105	0.999273	13	101	False	1	1	0.000
CgigaA	GCA	False	False	12	1.278183	6	9	False	2	2	0.000
	GCC	False	False	36	0.857983	11	31	False	2	2	0.000
	GCG	False	False	11	1.242116	7	9	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	64	0.942024	10	54	False	1	1	0.000
CsantA	GCA	False	False	37	1.035503	9	25	False	5	6	0.000
	GCC	False	False	21	0.996953	8	18	False	1	1	0.000
	GCG	False	False	6	1.459906	3	5	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	52	0.976673	10	35	False	5	6	0.000
CtropB	GCA	False	False	25	1.111437	8	24	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	74	1.157787	12	69	False	4	4	0.000
CtropA	GCA	False	False	27	1.107979	8	26	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	75	1.155713	12	70	False	4	4	0.000
WpijpA	GCA	False	False	36	0.916490	7	32	False	1	1	0.000
	GCC	False	False	7	1.166667	5	5	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	49	1.004865	6	41	False	3	4	0.000
BarxA	GCA	False	False	14	1.837557	1	9	False	1	5	0.070
	GCT	False	False	15	1.225121	1	10	False	1	3	0.060
CoxycA	GCA	False	False	9	1.326593	1	8	False	1	1	0.054
CsubhA	GCC	False	False	80	1.142686	12	70	False	4	4	0.000
	GCT	False	False	16	1.080238	8	15	False	1	1	0.000
CsubhB	GCC	False	False	80	1.142686	12	70	False	4	4	0.000
	GCT	False	False	16	1.080238	8	15	False	1	1	0.000
OanguA	GCT	False	False	82	0.877886	12	70	False	2	2	0.000
SarboA	GCA	False	False	38	1.164472	6	31	False	4	4	0.000
	GCT	False	False	50	1.057619	6	40	False	2	5	0.000
CalaiA	GCT	False	False	100	1.189581	10	88	False	5	8	0.000
KtherA	GCA	False	False	39	0.951136	6	28	False	3	4	0.000

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
CblacA	GCC	False	False	4	0.840194	3	2	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	58	1.033826	6	51	False	2	3	0.000
	GCT	False	False	26	1.072078	1	22	False	1	1	0.061
	GCA	False	False	54	1.103333	11	47	False	4	4	0.000
CnorvA	GCT	False	False	75	0.893300	12	61	False	3	4	0.000
CviswA	GCA	False	False	44	1.004499	9	39	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	72	1.057108	12	70	False	1	1	0.000
MstarA	GCA	False	False	41	0.874634	8	34	False	2	3	0.000
	GCT	False	False	84	0.935664	12	62	False	6	8	0.000
NbaciA	GCA	False	False	18	0.952835	5	13	False	2	2	0.000
	GCT	False	False	70	0.887130	6	56	False	2	3	0.000
CalbiD	GCC	False	False	20	1.118245	8	19	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	76	1.035791	10	72	False	1	1	0.000
CbohiA	GCA	False	False	36	1.018123	8	33	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	108	0.876619	13	93	False	3	3	0.000
LstarA	GCA	False	False	37	0.675243	7	25	False	2	2	0.000
	GCT	False	False	71	0.975815	10	46	False	5	10	0.000
MfariA	GCG	False	False	3	1.875445	3	2	False	1	1	0.012
MfariB	GCA	False	False	49	0.927711	10	40	False	3	3	0.000
	GCT	False	False	83	0.958980	12	78	False	1	1	0.000
CcastA	GCA	False	False	35	1.080272	7	27	False	3	5	0.000
	GCT	False	False	57	1.046671	6	46	False	3	4	0.000
LanspB	GCA	False	False	36	0.988360	5	28	False	2	3	0.000
	GCT	False	False	58	1.083019	6	49	False	4	5	0.000
CphanA	GCA	False	False	49	0.897717	12	32	False	3	5	0.000
	GCC	False	False	4	2.574026	4	2	False	2	2	0.035
	GCT	False	False	108	0.861425	12	71	False	6	11	0.000
LanspA	GCA	False	False	35	0.916351	5	27	False	2	3	0.000
	GCT	False	False	58	1.020748	6	51	False	2	2	0.000
CsojaA	GCA	False	False	28	1.059943	6	25	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	58	1.193234	8	55	False	3	3	0.000
CglabA	GCA	False	False	37	1.205581	6	30	False	2	5	0.000
	GCT	False	False	50	0.937132	6	41	False	1	2	0.000
ScryoA	GCA	False	False	32	0.557224	6	20	False	2	3	0.000
	GCC	False	False	8	0.600000	5	5	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	54	0.693743	6	27	False	4	5	0.000
CneerA	GCT	False	False	97	1.073877	13	93	False	3	3	0.000
	GCA	False	False	49	0.987678	9	45	False	1	1	0.000
CsakeA	GCC	False	False	5	1.491870	4	4	False	1	1	0.001
	GCT	False	False	73	0.937715	11	68	False	1	1	0.000
HuvarA	GCA	False	False	26	0.701863	5	18	False	2	2	0.000

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
CjiufA	GCT	False	False	59	0.784146	6	39	False	2	3	0.000
	GCT	False	False	98	1.030334	13	92	False	3	3	0.000
	GCA	False	False	34	1.020619	7	29	False	3	3	0.000
KlactA	GCC	False	False	3	1.436137	2	2	False	1	1	0.002
CzempA	GCT	False	False	54	0.932708	6	42	False	2	3	0.000
	GCA	False	False	35	0.965714	6	27	False	2	3	0.000
	GCT	False	False	45	1.099809	6	26	False	4	7	0.000
CmetaB	GCA	False	False	24	1.070000	7	21	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	105	0.999273	13	101	False	1	1	0.000
CmetaC	GCA	False	False	24	1.070000	7	21	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	105	0.999273	13	101	False	1	1	0.000
CmetaA	GCA	False	False	24	1.070000	7	21	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	105	0.999273	13	101	False	1	1	0.000
CmetaF	GCA	False	False	24	1.070000	7	21	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	105	0.999273	13	101	False	1	1	0.000
CfrijA	GCC	False	False	5	1.741722	3	4	False	1	1	0.001
	GCT	False	False	95	0.982207	13	89	False	2	2	0.000
CgallA	GCA	False	False	58	0.891747	13	38	False	3	6	0.000
	GCC	False	False	12	1.238508	6	8	False	2	2	0.000
	GCT	False	False	86	0.834668	11	56	False	6	9	0.000
CmetaE	GCA	False	False	24	1.070000	7	21	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	105	0.999273	13	101	False	1	1	0.000
	GCA	False	False	78	0.960868	10	64	False	5	5	0.000
PpastA	GCT	False	False	54	0.867220	12	48	False	1	1	0.000
SjapoA	GCA	False	False	12	0.988426	3	7	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	61	0.818239	6	37	False	5	6	0.000
CalbiE	GCC	False	False	13	1.183007	4	12	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	44	1.031739	7	41	False	1	1	0.000
CtetraA	GCA	False	False	22	1.147015	8	20	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	87	1.051733	13	82	False	2	2	0.000
CalbiC	GCA	False	False	33	1.031281	11	31	False	1	1	0.000
	GCC	False	False	23	1.103641	9	22	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	78	1.041540	11	74	False	1	1	0.000
CalbiB	GCA	False	False	33	1.031281	11	31	False	1	1	0.000
	GCC	False	False	23	1.103641	9	22	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	78	1.041540	11	74	False	1	1	0.000
CalbiA	GCC	False	False	22	1.133692	8	21	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	75	1.030338	10	71	False	1	1	0.000
MmagnB	GCA	False	False	53	0.821859	9	35	False	5	6	0.000
	GCC	False	False	31	0.849438	9	25	False	2	2	0.000
	GCT	False	False	33	0.882675	8	26	False	3	3	0.000

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
MmagnA	GCA	False	False	51	0.821008	9	33	False	5	6	0.000
	GCC	False	False	31	0.849438	9	25	False	2	2	0.000
	GCT	False	False	34	0.870000	8	27	False	3	3	0.000
CparaA	GCT	False	False	84	1.031057	11	81	False	1	1	0.000
CcoryA	GCA	False	False	42	0.869759	10	35	False	2	2	0.000
	GCT	False	False	95	0.946330	13	83	False	2	2	0.000
CparaC	GCT	False	False	105	1.018982	12	100	False	1	1	0.000
CparaB	GCT	False	False	105	1.018982	12	100	False	1	1	0.000
CparaE	GCT	False	False	105	1.018982	12	100	False	1	1	0.000
CparaD	GCT	False	False	105	1.018982	12	100	False	1	1	0.000
CparaF	GCT	False	False	105	1.018982	12	100	False	1	1	0.000
MtetrA	GCC	False	False	60	0.903541	10	43	False	5	8	0.000
	GCG	False	False	27	1.092072	10	21	False	2	3	0.000
	GCT	False	False	15	0.657912	6	9	False	1	1	0.000
CsaraA	GCA	False	False	40	1.058915	10	37	False	1	1	0.000
CsuavA	GCA	False	False	57	0.977619	11	52	False	2	2	0.000
	GCT	False	False	71	0.980519	11	53	False	4	6	0.000
PkluyA	GCA	False	False	76	1.112588	9	58	False	5	9	0.000
	GCG	False	False	5	1.325641	3	3	False	1	1	0.001
	GCT	False	False	39	0.855495	11	34	False	1	1	0.000
PcanaA	GCA	False	False	46	0.890000	10	39	False	2	2	0.000
	GCT	False	False	89	0.993080	11	71	False	3	6	0.000
YlipoB	GCA	False	False	54	0.925005	11	37	False	2	5	0.000
	GCC	False	False	5	1.479911	4	3	False	1	1	0.001
	GCT	False	False	98	0.845277	12	63	False	7	11	0.000
YlipoA	GCA	False	False	54	0.925005	11	37	False	2	5	0.000
	GCC	False	False	5	1.479911	4	3	False	1	1	0.001
	GCT	False	False	98	0.845277	12	63	False	7	11	0.000
CjadiA	GCA	False	False	56	1.033996	9	49	False	2	2	0.000
	GCT	False	False	82	0.902658	12	62	False	4	6	0.000
AgossB	GCT	False	False	43	1.005562	6	37	False	2	3	0.000
NdelpA	GCT	False	False	47	1.124120	6	38	False	1	5	0.000
LelonA	GCA	False	False	40	1.119731	10	36	False	2	2	0.000
CalimA	GCA	False	False	42	1.083788	9	27	False	2	6	0.000
	GCT	False	False	109	0.881136	12	69	False	9	12	0.000
CchauA	GCT	False	False	98	1.008602	13	83	False	4	5	0.000
BcaliA	GCA	False	False	55	0.951561	10	51	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	77	1.055963	12	59	False	6	8	0.000
SoctoA	GCA	False	False	23	0.876763	5	12	False	3	3	0.000
	GCT	False	False	68	0.726449	6	37	False	4	8	0.000
LkluyB	GCC	False	False	1	2.972727	1	0	False	1	1	0.464

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
CbuenA	GCT	False	False	17	1.250802	1	12	False	1	3	0.260
	GCA	False	False	30	1.150737	8	27	False	2	2	0.000
	GCT	False	False	104	1.051673	13	94	False	4	4	0.000
CdefoA	GCA	False	False	61	0.808333	13	38	False	3	6	0.000
	GCC	False	False	7	1.560630	4	6	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	88	0.886288	11	58	False	6	10	0.000
LdasiA	GCA	False	False	38	1.085914	6	30	False	3	4	0.000
	GCT	False	False	57	0.996658	6	47	False	2	4	0.000
	GCA	False	False	51	0.855349	5	42	False	2	2	0.000
LkluyF	GCC	False	False	3	1.596154	2	2	False	1	1	0.002
	GCT	False	False	47	1.224201	7	38	False	3	6	0.000
	GCA	False	False	51	0.864895	5	43	False	2	2	0.000
LkluyE	GCT	False	False	48	1.252725	7	37	False	3	7	0.000
	GCA	False	False	50	0.882229	5	42	False	2	2	0.000
	GCT	False	False	48	1.253717	7	38	False	3	7	0.000
LkluyD	GCA	False	False	51	0.855349	5	42	False	2	2	0.000
	GCT	False	False	48	1.253717	7	38	False	3	7	0.000
	GCA	False	False	51	0.855349	5	42	False	2	2	0.000
LkluyC	GCC	False	False	3	1.596154	2	2	False	1	1	0.002
	GCT	False	False	47	1.224201	7	38	False	3	6	0.000
	GCA	False	False	51	0.945683	10	46	False	2	2	0.000
CvartA	GCT	False	False	80	0.990686	11	64	False	4	5	0.000
	GCA	False	False	51	0.855349	5	42	False	2	2	0.000
	GCC	False	False	3	1.596154	2	2	False	1	1	0.002
LkluyA	GCT	False	False	47	1.224201	7	38	False	3	6	0.000
	GCT	False	False	88	1.030158	12	83	False	2	2	0.000
	GCT	False	False	115	0.984265	13	109	False	1	1	0.000
CorthB	GCT	False	False	116	0.983865	13	110	False	1	1	0.000
CorthC	GCT	False	False	116	0.986723	13	110	False	1	1	0.000
ClusiA	GCA	False	False	46	1.016370	11	43	False	1	1	0.000
	GCG	False	False	3	1.487273	3	1	False	1	1	0.018
	GCT	False	False	83	0.957038	11	78	False	1	1	0.000
MguilA	GCA	False	False	49	1.156357	9	46	False	2	2	0.000
	GCG	False	False	3	1.735669	3	2	False	1	1	0.014
	GCT	False	False	75	1.068501	12	73	False	2	2	0.000
WmucoA	GCA	False	False	47	0.961864	11	40	False	3	3	0.000
	GCC	False	False	6	1.669342	3	4	False	2	2	0.014
	GCT	False	False	85	0.969336	12	69	False	3	5	0.000
ScereC	GCA	False	False	38	1.142107	6	28	False	4	5	0.000
	GCT	False	False	53	1.092893	6	41	False	2	6	0.000
	GCA	False	False	39	1.137083	6	29	False	4	5	0.000
ScereA	GCT	False	False	52	1.109722	6	41	False	2	6	0.000
	GCA	False	False	38	1.179134	6	30	False	4	5	0.000
	GCA	False	False	38	1.179134	6	30	False	4	5	0.000

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
ScereE	GCT	False	False	51	1.062078	6	40	False	2	5	0.000
	GCA	False	False	39	1.164070	6	30	False	4	5	0.000
	GCT	False	False	51	1.058713	6	40	False	2	5	0.000
	GCA	False	False	41	0.891426	9	37	False	1	1	0.000
DhansA	GCC	False	False	6	1.387978	5	5	False	1	1	0.000
	GCT	False	False	90	0.991128	12	80	False	2	2	0.000
	GCA	False	False	25	1.104705	8	18	False	3	3	0.000
CsalmaA	GCC	False	False	7	0.040595	4	1	False	1	1	0.001
	GCG	False	False	2	2.361502	2	1	False	1	1	0.035
	GCT	False	False	86	0.872798	11	63	False	4	7	0.000
LnothA	GCA	False	False	36	0.990998	6	29	False	2	3	0.000
	GCT	False	False	62	1.047641	6	50	False	3	5	0.000
	GCA	False	False	51	1.010361	10	39	False	4	5	0.000
BcustA	GCT	False	False	66	1.090252	11	51	False	2	5	0.000
	GCT	False	False	100	1.057933	13	96	False	1	1	0.000
CtheaA	GCT	False	False	42	1.010018	6	36	False	2	3	0.000
AgossaA	GCA	False	False	37	0.872225	9	29	False	2	2	0.000
	GCT	False	False	88	0.914857	12	63	False	6	10	0.000
	GCA	False	False	26	1.035557	6	22	False	2	2	0.000
ScastA	GCC	False	False	6	1.500000	4	3	False	1	1	0.000
	GCG	False	False	3	2.077922	3	2	False	1	1	0.001
	GCT	False	False	53	1.042002	6	46	False	2	3	0.000
CmaltA	GCA	False	False	39	1.116852	9	37	False	2	2	0.000
	GCT	False	False	99	1.044920	13	92	False	3	3	0.000
	GCA	False	False	8	0.960137	1	6	False	1	1	0.045
KmarxA	GCT	False	False	25	1.181157	1	21	False	1	3	0.038