

CoReTracker report

		Clad. Val	Reassigned	Tot. count	Telford	Tot. Genes	Use. count	Trans. Val	Rea. Genes	Rea. count	Prob
NbaciA	GGA	False	False	32	-3.605789	6	30	False	1	1	0.000
MingeA	GGT	False	False	90	-3.627370	13	83	False	1	1	0.000
MmagnB	GGA	False	False	109	-3.642064	13	101	False	1	1	0.000
CphanA	GGT	False	False	114	-3.534166	12	102	False	2	2	0.000
CgallA	GGA	False	False	68	-3.540686	13	61	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	112	-3.692394	12	104	False	1	1	0.000
MmagnA	GGA	False	False	110	-3.657236	13	103	False	1	1	0.000
CdefoA	GGA	False	False	56	-3.583751	11	51	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	125	-3.651184	13	115	False	1	1	0.000
LstarA	GGA	False	False	60	-3.574986	8	52	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	96	-3.410883	8	81	False	1	1	0.000
MstarA	GGA	False	False	59	-3.576763	10	55	False	1	1	0.000
YlipoB	GGA	False	False	63	-3.527800	12	57	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	119	-3.689463	13	110	False	1	1	0.000
YlipoA	GGA	False	False	62	-3.553430	12	57	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	119	-3.689463	13	110	False	1	1	0.000
CsalmA	GGT	False	False	127	-3.520352	11	110	False	2	2	0.000
CsantA	GGT	False	False	107	-3.399979	13	93	False	2	2	0.000
CalimA	GGT	False	False	113	-3.636055	12	106	False	2	2	0.000
SjapoA	GGA	False	False	16	-3.141176	5	13	False	1	1	0.000
	GGT	False	False	82	-3.408080	7	70	False	2	2	0.000
SpombA	GGT	False	False	87	-3.175206	7	67	False	3	3	0.000
CzempA	GGT	False	False	77	-3.350460	7	64	False	1	1	0.000
	GGA	False	False	40	-3.055358	6	30	False	2	2	0.000
SoctoA	GGT	False	False	70	-3.442914	7	59	False	1	1	0.000
	GGA	False	False	93	-3.520160	13	83	False	1	1	0.000
MtetraA	GGA	False	False	40	-3.165951	7	29	False	1	1	0.000
	GGA	False	False	3	-1.476190	3	2	False	1	1	0.007
	GGT	False	False	72	-3.398914	6	61	False	1	1	0.000